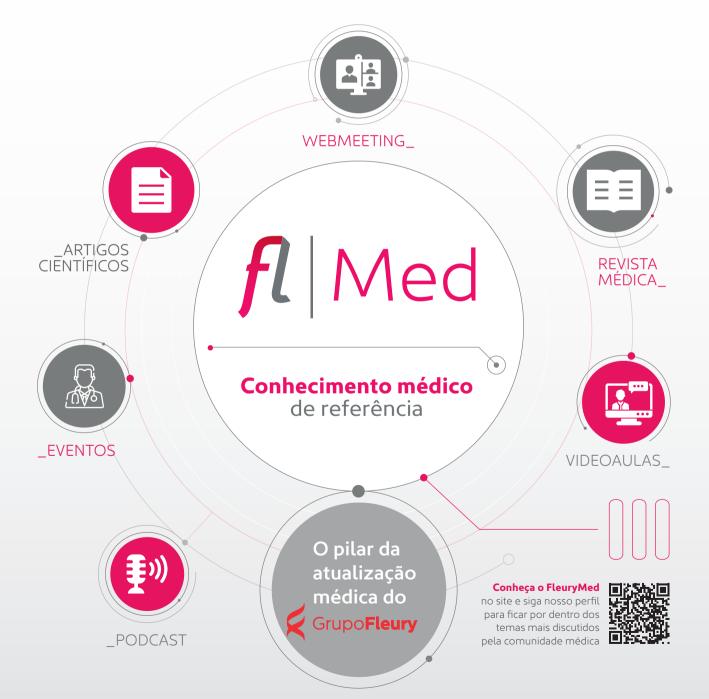


ESTÁ EM NOSSA ESSÊNCIA compartilhar conhecimento

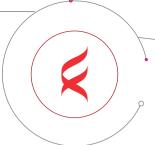
Proporcionar atualização e fomentar discussões científicas na área da saúde são formas de contribuir positivamente para o setor.

Pensando nisso, criamos o **Fleury Med**, que concentra ações e conhecimento técnicocientíficos, além de novos formatos de conteúdo como videoaulas e podcasts para você se atualizar.









Com temas atuais e constantemente discutidos pela comunidade médica, o **Fleury Med Podcast** traz convidados renomados para lhe oferecer conhecimento médico de qualidade nas mais diversas especialidades.





EPISÓDIO 1 | Teste pré-natal não invasivo: o método mais sensível para rastrear cromossomopatias

No primeiro episódio, nossos especialistas em Medicina Fetal do Fleury Medicina e Saúde, Dr. Mário Henrique Burlacchini e Dr. Enoch Quinderé de Sá Barreto, conversam sobre a importância do teste pré-natal não invasivo, o NIPT, para o rastreamento de cromossomopatias.



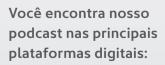
EPISÓDIO 2 O que é reprodução assistida e quando procurar ajuda para engravidar

No segundo episódio, o especialista em Reprodução Humana e Endometriose, Luiz Fernando Pina de Carvalho, da Baby Center Medicina Reprodutiva, conversa com o coordenador médico do Fleury Fertilidade, Daniel Suslik Zylbersztejn, sobre reprodução assistida.



EPISÓDIO 3 | Gestação Gemelar

Nossos especialistas em Medicina Fetal, Mário Henrique Burlacchini de Carvalho e Enoch Quinderé de Sá Barreto, abordam os desafios do seguimento das gestações gemelares, dado o risco muito aumentado de doenças como hipertensão, pré-eclâmpsia e diabetes, bem como de complicações na gestação.









₹ Unidades de Atendimento:

300 unidades em dez estados e no Distrito Federal.

- ← Operações em Hospitais: realização de diagnósticos para 31 hospitais, tanto de análises clínicas quanto de imagem e outras especialidades.

Grupo Fleury

- Portfólio amplo em Medicina Diagnóstica: cerca de 3,5 mil testes em 37 diferentes áreas.
- 6,8 milhões de atendimentos e mais de60 milhões de exames realizados em 2021.
- Quadro de 13 mil colaboradores e 3 mil médicos.
- Receita bruta de R\$ 4,2 bilhões em 2021.

Saiba alguns dos diferenciais do Grupo Fleury

O **Grupo Fleury** oferece um amplo portfólio de exames laboratoriais, processos modernos e seguros, além de uma consultoria médica especializada para auxiliar no direcionamento da investigação diagnóstica e, posteriormente, na decisão terapêutica.



Exames em anatomia patológica e citologia, além dos bioquímicos, hematológicos, hormonais, sorológicos e genéticos.

Metodologias e Novas Tecnologias

Sequenciamento genético de última geração, espectrometria de massas, proteômica direcionada, imunoensaios, reação em cadeia da polimerase e outras.

Agilidade

Liberação dos resultados pela internet.

Confiabilidade

Cada amostra, identificada por meio de código de barras, recebe um tratamento individualizado e cuidadoso, desde o momento da coleta até a liberação do laudo, sempre sob a supervisão de um médico especialista em Medicina Laboratorial.

Certificação

Programa de Acreditação de Laboratórios Clínicos (PALC) da Sociedade Brasileira de Patologia Clínica/Medicina Laboratorial (SBPC/ML), ISO 9001, ISO 14001

(Segurança

Rigoroso sistema de controle da qualidade laboratorial conforme as normas da SBPC/ML e CAP.

Parcerias internacionais

O Grupo Fleury está ao lado de marcas referências em Medicina Diagnóstica, como ChromaTox, Foundation One, Guardant Health, Mayo Clinics, NeoGen/Pediatric Screening, Nichols Institute, Exact Sciences e Quest Diagnostics.

Equipe

Altamente capacitada, que atua em conjunto com a equipe médica, em um ambiente que estimula permanentemente a pesquisa e a inovação.







ANÁLISES CLÍNICAS

✓ Acesso a todo o histórico do paciente com o laudo evolutivo



EXAMES DE IMAGEM

✓ Diversas ferramentas para manipular as imagens como panorâmica ou zoom, possibilitando a reformatação em diferentes planos ortogonais

✓ Mensuração em regiões de interesse (ROI), entre outras funcionalidades

Visualize no mesmo site as imagens de todas as marcas do **Grupo Fleury** como se estivesse na sala de exames, sem compressão ou perda de informação.



NOVIDADES

✓ Login facilitado

✓ Agilidade na busca por pacientes

✓ Solicitação de acesso aos exames dos pacientes

✓ Melhoria na visualização e impressão de laudos





Assista ao vídeo explicativo e conheça todas

Acesse: weinmann.com.br/medico

Canais de atendimento

(51) 4004-3080 **(**

@@laboratorioweinmann | f/laboratorioweinmann | SerdilRadiologia







Por mais um ano, o **Weinmann** foi eleito a marca mais lembrada na categoria Laboratórios de Análises Clínicas no Rio Grande do Sul pelo Top of Mind da Revista Amanhã.

Não poderíamos deixar de agradecer a você, que foi e é fundamental na construção desta conquista. O reconhecimento reflete o trabalho de excelência e o coleguismo que entregamos diariamente, além do respeito e carinho que temos pelo povo gaúcho.

Muito obrigado!







Responsável Técnico:

Dra. Kátia Zanotelli Fassina - CRM: 23.034 Fale Conosco: marketing.medico@grupofleury.com.br **Editores Científicos:**

Dra. Ana Carolina Silva Chuery Dra. Bárbara G. Silva Dra. Fernanda Aimee Nobre Dra Maria do Socorro Pinheiro Margarido Dr. Octavio Augusto Bedin Peracchi Gerente de Marketing: Sandra Marcellos

Editora Responsável: Ana Paula Bardella MTB 30628 Criação e Design Gráfico: PariseCom

> Direção de Arte: Sérgio Parise Diagramação:

Alessandra Velini Alexandre Barros Anderson Gomes Felipe Neves Impressão: HRosa

Colaboraram nesta edição:

Dr. Alberto Lobo Machado Dr. Alex Freire Sandes Dra. Aline dos Santos Borgo Perazzio Dr. Aloísio Souza F. da Silva Dr Antonio Carlos M Maia Ir Dr. Carlos Iorge da Silva Dra. Carolina da Silva Andriotti Dra. Carolina dos Santos Lázar Dra. Carolina Franzoni Pratti Dra. Caroline Olivati Dr. Celso Granato Dra. Claudia da Costa Leite Dr. Douglas Mendes Nunes Dra Germana Titoneli dos Santos Dr. Ivan Ucella Dantas de Medeiros Dr. José G. H. Vieira Dr. losé Viana Lima Iunior Dr. Leandro Tavares Lucato Dr. Lucas Avila Lessa Garcia Dra Luciane Choppa do Valle Dr. Luiz Antonio Pezzi Portela Dr. Marçal Cavalcante de Andrade Silva Dra. Márcia Emy Tubaki Dra. Márcia Wehba Esteves Cavichi Dr. Marco A. C. Oliveira Dra Maria de Lourdes L. F. Chauffaille Dra. Maria Izabel Chiamolera Dra. Marília Sampaio Dr. Matheus Vescovi Gonçalves Dr. Mauro Tadeu Ajaj Saieg Dra. Mônica Stiepcich Dra. Paola Emanuela P. Smanio Dra. Patrícia M. Costa de Oliveira Dra. Patrícia Martins e Souza Dr. Pedro Saddi Dra Rosa Paula Mello Biscolla

Dr. Rui M. B. Maciel

Dr. Wagner Antonio da Rosa Baratela



ATUALIZAÇÃO ▶

Após amplo estudo, Grupo Fleury implementa novos valores de referência para o hemograma



INFECTOLOGIA NA PRÁTICA ▶

Marcadores laboratoriais contribuem para a investigação das hepatites virais



HEPATITE DELTA ► A importância da investigação dessa doença ainda pouco rastreada e cuja prevalência pode estar subestimada



PEDIATRIA ► Estudo de caso mostra como diferentes métodos contribuem para avaliar quadro de dor abdominal em adolescente



ONCO-HEMATOLOGIA ▶

Painel genético avalia mutações relacionadas à leucemia linfoblástica aguda



GENÔMICA ► Painel genético para portadores de doencas recessivas auxilia decisões eprodutivas bem embasadas



ONCOLOGIA Especialista convidado compartilha sua prática clínica em casos de câncer de mama



SAÚDE DA MULHER ▶ Teste de Imunocitoquímica para p16/Ki-67 auxilia na predição do risco de malignidade de lesões causadas pelo HPV



NEUROIMAGEM ► Abordagem multidisciplinar contribui para o diagnóstico da perda de memória em paciente idosa



CARDIOLOGIA ► Complicações da hipertensão arterial estão associadas a maior risco de lesão em órgãos-alvo

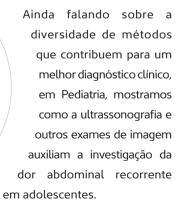


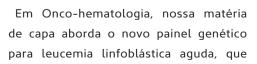
ENDOCRINOLOGIA Novos recursos clínicos contribuem para a avaliação e classificação dos nódulos de tiroide

COMPROMISSO COM A INOVAÇÃO E A QUALIDADE

compartilhamento de informações sobre novos exames, ou mesmo novas descobertas, é um dos pilares do Grupo Fleury, trabalho que reafirma o nosso compromisso com a medicina diagnóstica de qualidade.

> Dessa forma, apresentamos na décima segunda edição da **Revista Médica** os novos valores de referência para o hemograma, em matéria que traz informações importantes sobre essa recente atualização implementada pelo Grupo Fleury e que foi pautada em um amplo estudo realizado com dados de cerca de 100 mil indivíduos. Na coluna Infectologia na Prática, nossos especialistas discutem o uso de marcadores sorológicos no diagnóstico de hepatites virais sintomáticas. Seguindo nessa temática, discutimos a importância da investigação da hepatite delta, doença pouco rastreada e cuja prevalência pode estar subestimada.





Fassina

analisa diversas mutações tanto nas doenças de células B quanto nas de células T, com impacto no diagnóstico e na estratificação de risco dessas condições. Já em Genômica, apresentamos o painel genético para portadores de doenças autossômicas recessivas, teste que apoia decisões reprodutivas embasadas.

Em Ginecologia Geral, evidenciamos como o teste de imunocitoquímica para p16/Ki-67 se tornou um aliado na predição do risco de malignidade de lesões causadas pelo HPV. A Neurologia, por sua vez, destaca a importância da abordagem multidisciplinar para analisar um quadro de perda de memória e desorientação em paciente idosa. Na coluna Experiência Oncotype DX[®], a médica convidada, Dra. Marília Sampaio, mostra como esse exame foi fundamental para a definição da melhor conduta clínica de paciente com câncer de mama.

Em Cardiologia você confere uma investigação sobre as complicações da hipertensão arterial e as lesões em órgãos alvos. Em Endocrinologia, mostramos os novos recursos para o manejo e a classificação dos nódulos de tiroide.

Por fim, gostaríamos de agradecer a sua companhia ao longo de 2022 e esperamos que nesse novo ano você continue contando conosco na jornada de saúde de seus pacientes. Desejamos a todos um próspero 2023!

Boa leitura!



m dos exames complementares mais solicitados na prática médica para a avaliação do estado fisiológico ou patológico, o hemograma afere qualitativa e quantitativamente os elementos celulares do sangue.

Seus valores de referência (VR), que passaram por recente atualização no Grupo Fleury e entraram em vigor em 7 de agosto de 2022, são importantes para permitir que o médico interprete os resultados obtidos de seu paciente e os compare com a população à qual ele pertence.

Alteração foi feita a partir de estudo com dados de cerca de 100 mil indivíduos saudáveis

Entretanto, além de os VR sofrerem pequenas variações entre populações, por razões de etnia, estado nutricional, estilo de vida ou condições ambientais, podem, ao longo do tempo, se alterar pela substituição de métodos e equipamentos por outros mais modernos, que aferem com maior precisão e sensibilidade os parâmetros estabelecidos. Ademais, há variações entre as diferentes faixas etárias e gêneros, dentro da mesma população.

Nesse contexto, o College of American Pathologists e o Clinical and Laboratory Standards Institute sugerem que cada laboratório estabeleça os VR próprios para a população que atende.

Os VR são determinados a partir de análise estatística cuidadosa de uma amostra representativa da população de indivíduos saudáveis. A seleção da amostra deve levar em conta uma série de detalhes e características clínicas, epidemiológicas e demográficas, entre outras.

COMO FOI FEITO O ESTUDO

A equipe de pesquisadores do Grupo Fleury desenhou um estudo científico, suficientemente amplo e robusto, após aprovação do Comitê de Ética em Pesquisa, para estabelecer os VR do hemograma na população brasileira.

Inicialmente, selecionou, a partir do banco de dados da rede de laboratórios, mais de um 1 milhão de indivíduos, cujos dados foram tornados anônimos. Atendendo às diversas regras e condições do estudo, a equipe elegeu para a análise 95.949 pessoas saudáveis (58.569 mulheres e 37.380 homens), com idade igual ou superior a 18 anos, que realizaram o exame entre abril de 2012 e abril de 2021 (ver gráfico 1 e quadro 1).

Os resultados alcançados passaram por criteriosa reavaliação por métodos estatísticos e os pontos fora da curva (*outliers*) foram removidos com o uso do método de Tukey. Os pesquisadores obtiveram os VR por *bootstrapping*, tendo calculado os quartis 2,5 e 97,5 dos valores de cada analito aferidos 10.000 vezes e utilizando desviopadrão como intervalo de confiança. Finalmente, a equipe comparou os novos VR àqueles previamente empregados, assim como a outros estudos científicos internacionais disponíveis na literatura médica.

Os valores foram parametrizados em várias faixas etárias, no sexo masculino e feminino. A tabela 1 lista todos os novos VR dos diversos parâmetros, nas diferentes faixas etárias.

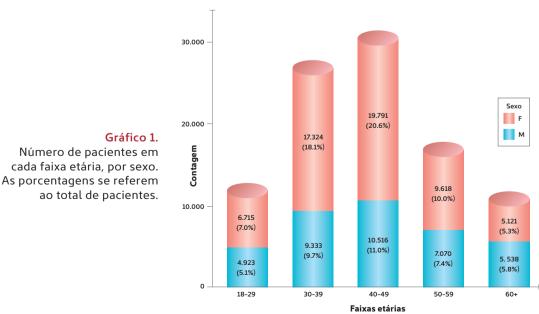


Tabela 1. Lista dos diversos VR estabelecidos pa	ra a população brasileira
CONTAGEM D	E CÉLULAS VERMELHAS (RBC)
Masculino Adultos: 4,32 - 5,67 milhões/mm³	Feminino Adultos: 3,83 - 4,99 milhões/mm³
l de la companya de	HEMOGLOBINA
Masculino Adultos: 13,3 - 16,5 g/dL	Feminino Adultos: 11,7 - 14,9 g/dL
	HEMATÓCRITO
Masculino Adultos: 39,2 - 49,0%	Feminino Adultos: 35,1 - 44,1%
HEMOGLO	BINA CORPUSCULAR MÉDIA
Masculino Adultos: 27,7 - 32,7 pg	Feminino Adultos: 27,7 - 32,7 pg
VOLUME CO	PRPUSCULAR MÉDIO (VCM)
Masculino Adultos: 81,7 - 95,3 fL	Feminino Adultos: 83,1 - 96,8 fL
CONCENTRAÇÃO DE H	IEMOGLOBINA CORPUSCULAR MÉDIA
Masculino Adultos: 32,4 - 36,0 g/dL	Feminino Adultos: 32,0 - 35,2 g/dL
DISTRIBUIÇÃO D	PE CÉLULAS VERMELHAS (RDW)
Masculino Adultos: 11,8 - 14,1%	Feminino Adultos: 11,8 - 14,2%
	LEUCÓCITOS
Masculino Adultos: 3.650 - 8.120/mm³	Feminino Adultos: 3.470 - 8.290/mm³
	NEUTRÓFILOS
Masculino Adultos: 1.590 - 4.770/mm³	Feminino Adultos: 1.526 - 5.020/mm³
	EOSINÓFILOS
Masculino Adultos: 34 - 420/mm³	Feminino Adultos: 20 - 340/mm³
	BASÓFILOS
Masculino Adultos: 10 - 80/mm³	Feminino Adultos: 10 - 80/mm³
	LINFÓCITOS
Masculino Adultos: 1.120 - 2.950/mm³	Feminino Adultos: 1.097 - 2.980/mm³
	MONÓCITOS
Masculino Adultos: 260 - 730/mm³	Feminino Adultos: 220 - 650/mm³
	SEGMENTADOS
Masculino Adultos: 1.590 - 4.770/mm³	Feminino Adultos: 1.526 - 5.020/mm³
	BASTONETES
Masculino Adultos: até 812/mm³	Feminino Adultos: até 829/mm³
	PLAQUETAS
Masculino Adultos: 151.000 - 304.000/mm³	Feminino Adultos: 163.000 - 343.000/mm³



dadio 1. Nulliero de	pacientes em c	.aua taixa etatia, poi sexo.	As porcentage	is correspondent ao tota	at de pacientes
Faixa etária	Sexo	Número de pacientes (%)	Sexo	Número de pacientes (%)	Total
18-29	F	6.715 (7,00%)	М	4.923 (5,13%)	11.638 (12,13%)
30-39	F	17.324 (18,1%)	М	9.333 (9,73%)	26.657 (27,83%)
40-49	F	19.791 (20,6%)	М	10.516 (11,0%)	30.307 (31,6%)
50-59	F	9.618 (10,0%)	М	7.070 (7,37%)	16.688 (17,37%)
60+	F	5.121 (5,34%)	М	5.538 (5,77%)	10.659 (11,11%)
Total		58.569 (61,0%)		37.380 (39%)	95.949 (100%)

Consultoria médica:



Dr. Alex Freire Sandes Consultor médico em Hematologia alex.sandes@grupofleury.com.br



Dra. Aline dos Santos Borgo Perazzio Consultora médica em Hematologia aline.perazzio@grupofleury.com.br



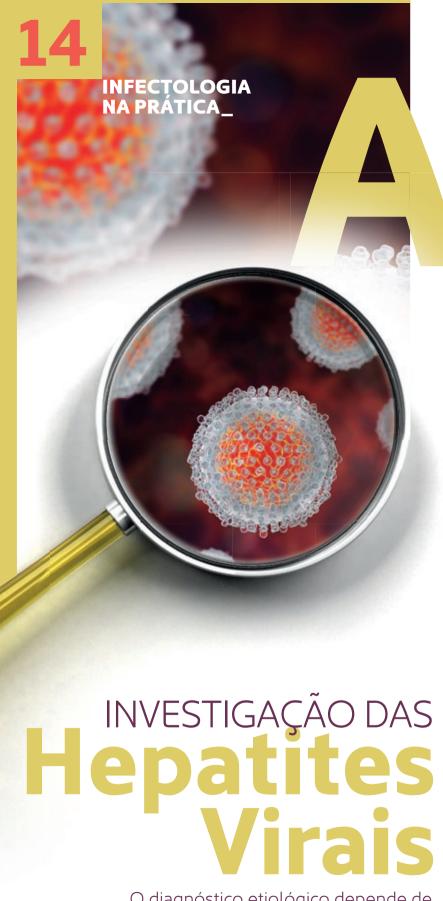
Dr. Marçal Cavalcante de Andrade Silva Consultor médico em Hematologia marcal.silva@grupofleury.com.br



Dra. Maria de Lourdes L. F. Chauffaille
Consultora médica em Citogenética e Hematologia
mlourdes.chauffaille@grupofleury.com.br



Dr. Matheus Vescovi Gonçalves Consultor médico em Hematologia matheus.goncalves@grupofleury.com.br



O diagnóstico etiológico depende de marcadores laboratoriais específicos

s hepatites causadas por vírus – aqui trataremos da A, da B e da C – atingem milhões de pessoas anualmente e continuam a representar um importante problema de saúde pública em todo o mundo, tanto em suas formas agudas quanto crônicas.

Quando sintomáticas, as hepatites virais agudas cursam com quadros clínicos praticamente indistinguíveis, isto é, não é possível o diagnóstico etiológico diferencial sem o emprego de marcadores sorológicos específicos: o anti-VHA IgM para o vírus da hepatite A (VHA), o HBsAg e o anti-HBc IgM para o vírus da hepatite B (VHB) e o anti-VHC e o VHC-RNA para o vírus da hepatite C (VHC).

As manifestações clínicas usualmente constituem um período prodrômico de quatro a sete dias, marcado por sintomas inespecíficos como febre, astenia, dores musculares, cefaleia, náuseas, vômitos e artralgias. A essa sintomatologia se segue um período de estado, caracterizado por icterícia, colúria e hipo ou acolia fecal, além de hepatomegalia discreta e, por vezes, esplenomegalia. Na maioria dos casos, porém, essas infecções são subclínicas. Na convalescença restam apenas anormalidades laboratoriais, que tendem a regredir em cerca de seis meses.

Já nas hepatites crônicas, diagnosticadas quando há persistência dos vírus B ou C por mais de seis meses, a infecção costuma ser oligo ou assintomática, razão pela qual muitas vezes a doença só é identificada diante de complicações decorrentes de sua progressão para cirrose ou hepatocarcinoma. Por conta disso, em muitas situações, o diagnóstico ocorre casualmente, sendo feito pela descoberta da elevação de enzimas hepáticas, notadamente a alanina aminotransferase (ALT). Eventualmente, os portadores de hepatite crônica B ou C apresentam sintomas genéricos, a exemplo de fadiga, mal-estar e artralgias. Por sua vez, os pacientes com doença mais avançada podem evidenciar manifestações como ascite, edemas, discreta icterícia e hemorragia digestiva alta. Ao exame físico, existe a possibilidade de constatar a presença de circulação colateral, aranhas vasculares e, nos pacientes do gênero masculino, ginecomastia.

HEPATITE A

O diagnóstico de hepatite aguda pelo VHA se baseia na detecção de anticorpos anti-VHA da classe IgM, que se tornam positivos no início do quadro clínico e permanecem detectáveis por cerca de quatro a seis meses. Passado esse período, só é possível encontrar anticorpos anti-VHA da classe IgG, que conferem imunidade à doença e indicam infecção pregressa pelo vírus. É importante ressaltar que o VHA não costuma causar hepatite crônica, exceto muito raramente em pacientes transplantados de órgão.

HEPATITE B

feito pela presença do antígeno HBsAg e do anticorpo anti-HBc da classe IgM, que se mostram positivos já no começo das manifestações clínicas e podem ser detectados por até seis meses. Durante e após o quadro agudo, o anti-HBc da classe IgG aparece na circulação e, a seguir, há o desaparecimento do HBsAg e o surgimento do anticorpo anti-HBs, com resolução do quadro e imunidade do paciente.

Nos quadros agudos de hepatite B, o diagnóstico é

A evolução para a cronicidade se caracteriza pela persistência do HBsAg após seis meses de infecção e pelo não aparecimento do anti-HBs. A presença do antígeno HBeAg marca a fase replicativa viral, cujo fim é sinalizado pelos anticorpos anti-HBe.

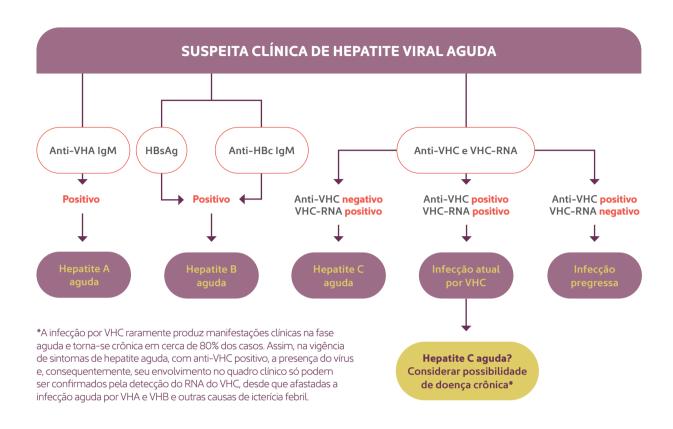
Estes últimos têm pouco valor durante a fase aguda da hepatite B, sendo úteis para avaliar a presença ou a ausência de replicação em quadros de infecção crônica. Entretanto, o vírus pode sofrer mutações que permitem sua replicação, a despeito da presença de anti-HBe, e induzir nova elevação de transaminases.

Assim, atualmente a classificação das infecções crônicas pelo VHB recebe nova nomenclatura: infecção crônica HBeAg positiva ou negativa (caracterizadas por ALT normal) e hepatite crônica HBeAg positiva ou negativa (caracterizadas por ALT elevada). Apenas as hepatites crônicas pelo VHB podem requerer tratamento, a depender da carga viral. A exceção fica por conta dos portadores de cirrose ou de manifestações extra-hepáticas da hepatite B, em que a presença de VHB-DNA, independentemente dos níveis de ALT e da quantificação do DNA, por si só indica tratamento.

Dessa forma, os quadros crônicos pelo VHB exigem o uso de testes moleculares (VHB-DNA quantitativo) para a caracterização do estágio da doença, a indicação do tratamento e a avaliação prognóstica e de resposta à medicação.

HEPATITE C

O marcador sorológico utilizado para a detecção do VHC é o anti-VHC, que, nas infecções agudas, leva de 4 a 24 semanas para se tornar positivo. Por esse motivo, diante de um quadro aqudo de hepatite, o VHC-RNA deve também ser solicitado. Como esse vírus raramente produz manifestações clínicas na fase aguda, em muitos casos o diagnóstico não ocorre nessa fase. O anti-VHC permanece positivo indefinidamente, tanto nas infecções crônicas quanto nos casos que evoluem para a cura. Desse modo, a confirmação da persistência da infecção, a indicação de tratamento e a avaliação prognóstica e de resposta terapêutica iqualmente não prescindem do emprego de testes moleculares, como o VHC-RNA quantitativo. A genotipagem já foi muito importante na avaliação rotineira desses pacientes; com a disponibilidade de tratamento pan-genotípicos, entretanto, vem perdendo a utilidade.





F A HFPATITE F?

Embora ocorra em menor incidência, a hepatite E não pode ser desconsiderada como diagnóstico diferencial em pacientes com elevação aguda das transaminases, particularmente naqueles em que os marcadores de hepatites A, B e C estejam negativos. Estudos recentes demonstram que, em pacientes atendidos em serviços de emergência brasileiros, com ALT superior a 200 UI/mL, o vírus da hepatite E (VHE) pode ser o agente etiológico envolvido em até 4% dos casos. Além disso, estudos de soroprevalência estimam que entre 10% e 15% da população apresente IgG reagente para este vírus. Em conjunto, esses dados podem indicar que a hepatite E é subdiagnosticada em nosso meio, o que pode ter implicações importantes, visto que a doença pode evoluir para insuficiência hepática aguda em até 30% das gestantes acometidas, e pode se tornar crônica em receptores de transplante de órgãos sólidos. O diagnóstico é feito por meio de sorologia: a presença de IgM específica contra o VHE indica a infecção aguda. O exame de sorologia para IqG e IqM é realizado no Fleury e o prazo de resultados é de até sete dias. Nos experimentos de validação, a sensibilidade da pesquisa de anticorpos anti-VHE foi de 85% para IgM e 95% para IgG.

GRUPOS DE ALTO RISCO

para infecção por VHB

- Indivíduos nascidos em regiões de endemicidade alta ou intermediária para VHB (prevalência de HBsAg ≥2%): África (todos os países); norte, sudeste e leste da Ásia (todos os países); Austrália e Sul do Pacífico (todos os países, exceto Austrália e Nova Zelândia); Oriente Médio (todos os países, exceto Chipre e Israel); Leste Europeu (todos os países, exceto Hungria); Europa Ocidental (Malta, Espanha e populações indígenas da Groenlândia); América do Norte (nativos do Alasca e populações indígenas do Norte do Canadá); México e América Central (Guatemala e Honduras); América do Sul (Equador, Guiana, Suriname, Venezuela e regiões amazônicas); Caribe (Antígua-Barbuda, Dominica, Granada, Haiti, Jamaica, Saint Kitts e Nevis, Santa Lúcia, Ilhas Turks e Caicos)
- Pessoas que já utilizaram drogas injetáveis*
- Homens que fazem sexo com homens*
- Pessoas que necessitam de terapia imunossupressora, incluindo quimioterapia, imunossupressão devido a transplante de órgão, imunossupressão por doenças reumatológicas ou gastroenterológicas
- Indivíduos com ALT ou AST elevadas de origem desconhecida*
- Doadores de sangue, plasma, órgãos, tecidos ou sêmen
- Pessoas com doença renal em estágio terminal, incluindo pré-diálise, hemodiálise e diálise peritoneal*
- Todas as gestantes
- Recém-nascidos de mães HBsAg-positivas*
- Indivíduos com doença hepática crônica, como VHC*
- Pessoas que vivem com HIV*
- Contatos domiciliares, sexuais ou de compartilhamento de agulhas de pessoas HBsAq-positivas*
- Pessoas que tiveram mais de um parceiro sexual durante os últimos seis meses*
- Indivíduos que procuram avaliação ou tratamento para IST*
- Profissionais de saúde e de segurança pública em risco de exposição no trabalho a sanque ou a fluidos corporais contaminados com sanque*
- Residentes e funcionários de instituições para pessoas com deficiência*
- Viajantes para países com prevalência intermediária ou alta de infecção pelo VHB*
- Pessoas que são a fonte de exposições a sangue ou fluidos corporais, que podem requerer profilaxia pós-exposição
- Pessoas em privação de liberdade*
- Indivíduos não vacinados com diabetes e idade entre 19 e 59 anos (a critério médico para adultos não vacinados com diabetes e idade ≥60 anos)*

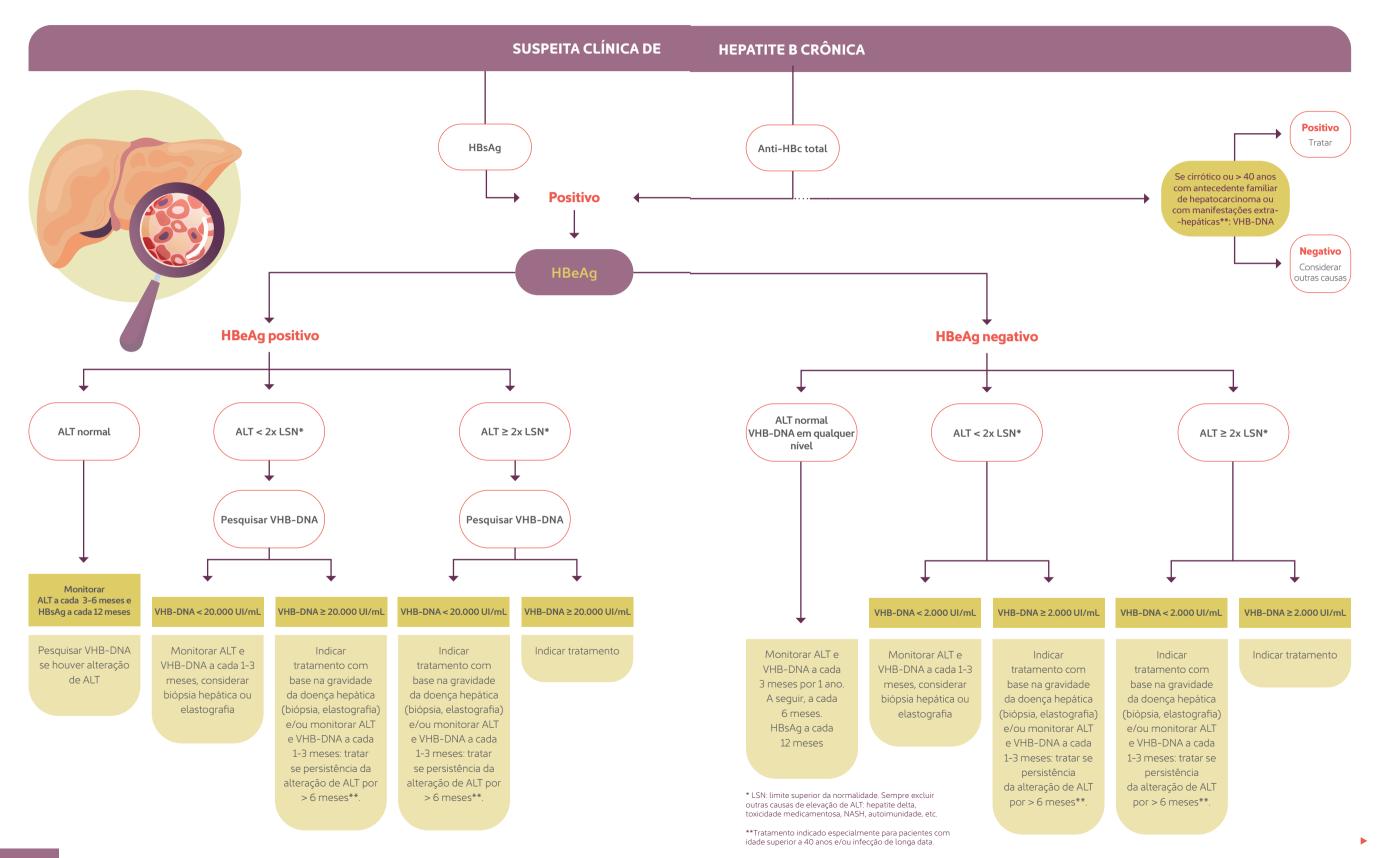
*Grupos que devem receber a vacina contra a hepatite B, se ainda não vacinados. Retirado de Terrault N. et al. Hepatology, vol. 67, no. 4, 2018.

OUTROS TESTES PARA

PACIENTES INFECTADOS PELO VHB

Os exames a seguir podem ser úteis na avaliação diagnóstica e no acompanhamento terapêutico dos indivíduos infectados pelo VHB:

- Pesquisa e quantificação do DNA do VHB por PCR em tempo real, com limite inferior de detecção de 12 UI/mL. A carga viral do VHB é utilizada para avaliar indicação de tratamento.
- Pesquisa de mutação na região pré-core do DNA do VHB por sequenciamento, útil para identificar indivíduos com variantes do VHB. Essa mutação, encontrada em 30% a 60% dos portadores de VHB com HBeAg negativo no Brasil, impede a expressão do HBeAg, mesmo na presença de replicação viral.
- Pesquisa de resistência a antivirais (lamivudina, telbivudina, entecavir, adefovir e tenofovir), indicada para os portadores de hepatite B crônica em tratamento.
 O exame é feito por sequenciamento do gene da polimerase.
 As mutações ocorrem nos códons do domínio YMDD da polimerase do VHB.



INTERPRETAÇÃO DOS TESTES de rastreamento para infecção por VHB

RESULTADOS DOS TESTES DE RASTREAMENTO

HBsAg	Anti-HBc	Anti-HBs	Interpretação	Conduta	Vacinação
Positivo	Positivo	Negativo	Infecção pelo HBV: para caracterizar infecção crônica, são necessários dois resultados positivos de HBsAg com intervalo de 6 meses.	Necessita de testes adicionais e condutas específicas. Encaminhar ao especialista.	NÃO
Negativo	Positivo	Positivo	Infecção pregressa pelo VHB, com imunidade natural	Não requer conduta, a menos que haja imunossupressão ou esteja em programação de quimioterapia ou de terapia imunossupressora	NÃO
Negativo	Positivo	Negativo	Infecção pregressa pelo VHB, resolvida; ou raramente, infecção crônica pelo VHB; ou resultado falso-positivo	Pesquisar VHB-DNA e encaminhar ao especialista se detectado. Alternativamente, aplicar dose única de vacina e avaliar resposta anamnéstica (pesquisar anti-HBs 30 dias após a vacinação)	NÃO
Negativo	Negativo	Positivo	Imunidade vacinal	Não requer avaliação adicional	NÃO
Negativo	Negativo	Negativo	Suscetível	Não requer avaliação adicional	SIM





Com transmissão semelhante à do vírus da hepatite B, doença ainda é pouco rastreada e sua prevalência no Brasil pode estar subestimada

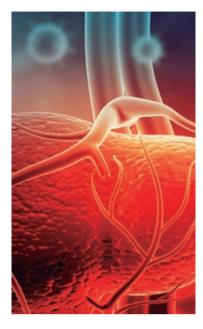
esde 1977, quando Mario Rizzetto *et al* descreveram o "antígeno delta" em biópsias hepáticas de pacientes infectados pelo vírus da hepatite B, muito conhecimento sobre este curioso vírus foi publicado. Entretanto, ainda há muitas dúvidas sobre sua prevalência, epidemiologia e importância em pacientes portadores do vírus da hepatite B.

O vírus da hepatite delta é um vírus RNA incompleto, pois não tem envelope e depende do vírus da hepatite B para sua transmissão e também para entrar no hepatócito. Sua presença inibe a replicação viral do vírus da hepatite B. Desta forma, há duas maneiras possíveis de contaminação: a coinfecção e a superinfecção. Na primeira, o indivíduo se

contamina com ambos os vírus ao mesmo tempo, tendendo a apresentar um curso agudo que pode ser mais grave ou até fulminante, mas com evolução para a cura na maioria dos casos. Na segunda, um indivíduo já portador crônico do vírus da hepatite B se infecta pelo vírus delta, o que tende a provocar uma exacerbação da atividade da doença, mas não sua cura, e evolução posterior rápida para cirrose, insuficiência hepática e hepatocarcinoma.

Por ser um vírus menos estudado, a prevalência real da hepatite delta é motivo de controvérsia. Estudos recentes têm demonstrado que a hepatite delta é mais comum do que se imaginava, afetando cerca de 48 a 60 milhões de pessoas mundialmente.

NO BRASIL, RECOMENDA-SE A
PEQUISA DA HEPATITE DELTA
EM PORTADORES DO VÍRUS
PROCEDENTES DE ÁREAS
ENDÊMICAS. É IMPORTANTE
LEMBRAR QUE A TRANSMISSÃO
DO DELTA É SEMELHANTE À DO
VÍRUS DA HEPATITE B



No Brasil, a doença é classicamente conhecida como endêmica na Amazônia Ocidental, região onde já foi descrita prevalência de hepatite delta de 30% entre portadores do vírus da hepatite B. Entretanto, é uma doença pouco pesquisada em outras áreas do nosso território, talvez de forma equivocada. Estudo realizado em Minas Gerais revelou prevalência de 6,2% entre doadores de sangue HBsAg+¹. No Maranhão, estudo realizado em cinco cidades encontrou 8,7% de prevalência entre portadores do HBV². Pacientes coinfectados com HIV também têm prevalência aumentada, em comparação com pacientes HIV negativos, em estudos realizados em SP e MT³.

Mais recentemente, descreveu-se em modelos animais⁴ que o vírus delta consegue utilizar os envelopes de outros vírus, como o da dengue e da hepatite C, para sua entrada na célula e replicação. Este achado trouxe ainda mais interesse em seu estudo, embora ainda não se saiba se em humanos o comportamento seria semelhante.

Na prática, a hepatite delta permanece sendo uma doença pouco rastreada e pouco lembrada e é possível que sua prevalência esteja subestimada. Agravando este cenário, a doença é mais prevalente em áreas com menor índice de desenvolvimento. Entretanto, migrações maciças tem ocorrido com mais frequência e podem mudar a sua distribuição.

Muitos autores têm sugerido que a hepatite delta deveria ser pesquisada em qualquer paciente portador crônico do vírus da hepatite B, mas não há avaliação da custoefetividade desta estratégia. No Brasil, recomendase sua pesquisa em portadores do vírus procedentes de áreas endêmicas. É importante lembrar que a transmissão do delta é semelhante a do vírus da hepatite B. Assim, a história epidemiológica deveria contemplar não apenas a procedência do paciente, mas também de parceiros sexuais, bem como avaliar a possibilidade de transmissão vertical, além de transfusões e uso de drogas injetáveis. Pacientes portadores de hepatite B com anti-HBe negativo, HBVDNA baixo (usualmente abaixo de 2.000 UI/mL) ou indetectável e enzimas elevadas também devem ser avaliados quanto à possiblidade de superinfecção com hepatite delta.

No Grupo Fleury, a pesquisa da hepatite delta é realizada através da detecção de anticorpos totais (IgG e IgM) por quimioluminescência, com sensibilidade e especificidade x e y.

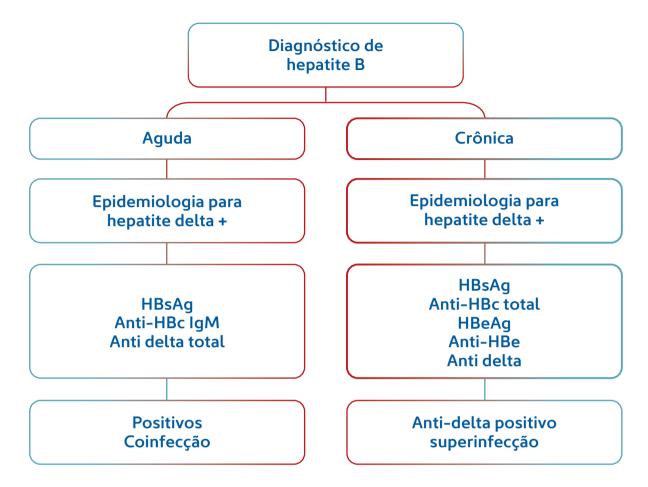


Tabela 1: Interpretação sorológica da hepatite D

Formas	HB-sAg	Anti- -HBc	AntiHBc lgM	AntiHDV total	Anti- -Hbs
Co-infecção	(+)	(+)	(+)	(+)	(-)
Superinfecção	(+)	(+)	(-)	(+)	(-)
Cura	(-)	(+)	(-)	(+)	(+)

Fonte: Ministério da Saúde

Bibliografia:

- 1- Scarponi CFO *et al.* Molecular epidemiology of Hepatitis delta virus infection in Minas Gerais state from Brazil, an area outside the hyperendemic region of the Amazon Basin. Mem Inst Oswaldo Cruz, Rio de Janeiro, Vol. 114: e190074, 2019 doi: 10.1590/0074-02760190074
- 2- Nunes, JDC *et al.* The hepatitis delta genotype 8 in Northeast Brazil: The North Atlanticslave trade as the potential route for infeccion. Virus Research 224 (2016) 6–11
- 3- Botelho-Souza *et al.* Virology Journal (2017) 14:177 doi: 10.1186/ s12985-017-0845-y
- 4- Perez-Vargas J *et al.* Enveloped viruses distinct from HBV induce dissemination of hepatitis D virus in vivo. Nature communications https://doi.org/10.1038/s41467-019-10117-z

Consultoria médica:



Dra. Carolina dos Santos Lázari Consultora médica em Infectologia carolina.lazari@grupofleury.com.b



Dr. Celso Granato Consultor médico em Infectologia e Imunologia celso.granato@grupofleury.com.br



Dra. Patrícia M. Costa de Oliveira Consultora médica em Gastroenterologia patricia.oliveira@grupofleury.com.br

PRONTMED HUB

O prontuário eletrônico que otimiza o seu tempo e facilita o seu atendimento

Conheça o Prontmed Hub, o software médico que está transformando o olhar dos profissionais de saúde sobre dados e paciente.



Especial para você

Mais de 30 modelos únicos de prontuários de acordo com sua especialidade.



Tudo na mesma tela

Atendimento, agendamento, faturamento, prontuário e tudo o que você precisa em um só lugar.



Fácil de usar

Campos clicáveis para agilizar o preenchimento do prontuário.



Telemedicina

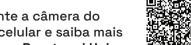
Consulta virtual com sala de espera e prontuário na mesma tela.

WhatsApp integrado

Envie documentos assinados digitalmente e confirme consultas por WhatsApp.



Aponte a câmera do seu celular e saiba mais sobre o Prontmed Hub



Controle de acesso, dados criptografados

e conformidade com a Lei Geral







Equipe especializada pronta para auxiliar com treinamentos específicos.

de Proteção de Dados.



Tecnologia em nuvem

Armazenamento em nuvem para levar o Prontmed Hub para qualquer lugar.



DA DOR ABDOMINAL RECORRENTE EM ADOLESCENTE

Utrassonografia
auxilia o diagnóstico e
outros métodos definem a
extensão do quadro



O CASO

aciente do sexo feminino, 14 anos, procurou o pediatra com história de dor abdominal intensa, iniciada fazia um ano, que, com frequência, a impedia de ir à escola. Referia, ainda, episódios de diarreia eventualmente com sangue e interrupção da menstruação havia seis meses. Nesse período, recebeu antibioticoterapia, com melhora parcial dos sintomas, mas, após um mês de tratamento, evoluiu com piora do quadro e perda de 8 kg de peso.

Ao exame físico, apresentava-se descorada, emagrecida e com dor à palpação profunda na fossa ilíaca direita. Nos exames laboratoriais, foram observados como achados relevantes anemia hipocrômica microcítica, proteína C reativa de 22 mg/dL e calprotectina fecal de 2.000 mcg/q de fezes.

Diante disso, o médico solicitou uma ultrassonografia (USG) de abdome, que evidenciou espessamento parietal de alças intestinais localizadas na fossa ilíaca direita, além de hiperecogenicidade da gordura mesentérica e linfonodomegalias adjacentes. Ao Doppler colorido, foi constatado aumento da vascularização da parede das alças e do mesentério na fossa ilíaca direita (figuras 1 e 2).

Sob hipótese diagnóstica de doença inflamatória intestinal (DII), a paciente realizou colonoscopia e enterografia por ressonância magnética (entero-RM) (figura 3), para melhor avaliação da extensão do acometimento intestinal e o estadiamento da condição.

A QUEIXA DE DOR ABDOMINAL RESPONDE POR CERCA **DE 2% A 4% DE TODAS AS CONSULTAS PEDIÁTRICAS**

DISCUSSÃO

A queixa de dor abdominal responde por cerca de 2% a 4% de todas as consultas pediátricas, sendo a disfunção gastrointestinal funcional (DGIF) - que abrange a dispepsia funcional, a enxaqueca abdominal, a síndrome da dor abdominal funcional e a síndrome do intestino irritável – a causa mais comum. Aproximadamente 25% das crianças e

adolescentes entre 4 e 18 anos completam os critérios diagnósticos para DGIF pela classificação de Roma IV.

De acordo com o quadro clínico e laboratorial, outras condições potencialmente mais graves, além das DGIF, devem ser investigadas.

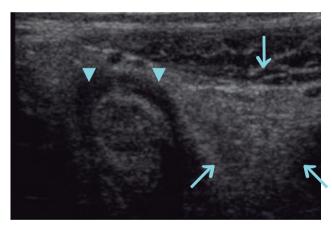


Figura 1: USG da fossa ilíada direita evidencia alça intestinal com paredes espessadas (pontas de seta), com redução do peristaltismo e aumento da ecogenicidade do mesentério (setas azuis), devido à proliferação da gordura mesentérica

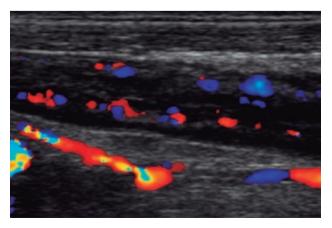


Figura 2: USG com Doppler colorido mostra aumento da vascularização nos tecidos, tanto na parede do intestino como no mesentério.



Figura 3: Na entero-RM, as paredes das alças se tornam mais visíveis devido à sua distensão pelo preparo via oral, realçando o segmento do íleo distal acometido, que apresenta espessamento parietal (seta amarela).



Investigação por imagem

A USG é o exame de escolha no início da investigação por imagem da dor abdominal recorrente, uma vez que constitui um método não invasivo, sem radiação e sem necessidade de anestesia em crianças pequenas, além de apresentar altas sensibilidade e especificidade para o diagnóstico de diversas doenças gastrointestinais e hepatobiliares, quando realizada de forma adequada.

O método permite identificar facilmente litíases biliares ou renais. No estudo das alças intestinais, configura excelente recurso e costuma ser bastante utilizado na investigação inicial de doenças inflamatórias intestinais, também com elevadas sensibilidade e especificidade.

Como parâmetros diagnósticos, a USG usa um espessamento de parede de alças maior que 3 mm, aumento da vascularização ao Doppler colorido, proliferação da gordura mesentérica, linfonodomegalias e perda do peristaltismo. E ainda possibilita a detecção de abscessos e de sinais indiretos de perfuração, a exemplo de presença de líquido livre espesso ou coleções heterogêneas de limites imprecisos na cavidade abdominal.

Atualmente, além da USG convencional e com Doppler colorido, diversos estudos que utilizam contraste intravenoso, bem como a elastografia com SWE (*shear wave elastography*), têm sido publicados, com resultados promissores. Entre as limitações da USG estão a variação dos resultados de acordo com o equipamento e com o operador e a dificuldade em determinar precisamente o grau de acometimento intestinal.

A entero-RM, por sua vez, é o exame de escolha no estadiamento da DII, uma vez que define a extensão do quadro de forma mais precisa. Por meio de algumas sequências, como a difusão, e do uso do meio de contraste intravenoso, pode-se determinar a atividade da doença e detectar fibrose, além de identificar fístulas e abscessos. Vale ressaltar, contudo, que o exame requer preparo via oral e não pode ser realizado se houver necessidade de anestesia, o que é frequente em crianças mais novas.

Nesses casos, uma alternativa é a enterografia por tomografia computadorizada (entero-TC), que pode ser feita sem anestesia devido à sua rapidez em adquirir as imagens. A desvantagem do método fica por conta do

uso da radiação ionizante, apesar de a dose ser reduzida ao mínimo nos protocolos pediátricos direcionados com a utilização de equipamentos de última geração.



A IMPORTÂNCIA DA USG NO ESTUDO DAS AFECÇÕES INTESTINAIS

A USG é um excelente método para avaliar o acometimento de alças intestinais, principalmente com a utilização do transdutor de alta resolução, que torna possível a visualização de todas as camadas de uma alça (*figura 4*). Além de configurar o exame de escolha inicial nas dores abdominais agudas e crônicas, pode ser útil para determinar o diâmetro transverso da ampola

retal, comumente maior do que o normal nas constipações (*figura 5*). Esse aumento ainda pode dificultar o esvaziamento vesical adequado, resultando na presença de resíduo pós-miccional, muitas vezes associado com infecção do trato urinário e enurese noturna.

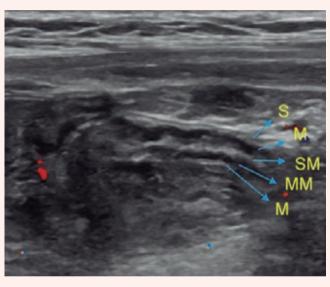


Figura 4: USG da alça intestinal realizada com transdutor linear de alta resolução evidencia as cinco camadas: M (mucosa), MM (muscular da mucosa), SM (submucosa), M (muscular própria) e S (serosa).



Figura 5: Na USG abdominal, o reto, localizado posteriormente à bexiga, encontra-se distendido, com diâmetro transverso de 4,8 cm. Habitualmente, o diâmetro do reto não deve ultrapassar 3,0-3,3 cm. Além desse achado, comumente observamos distensão gasosa dos demais segmentos do colón nas crianças constipadas.

CONCLUSÃO

No caso apresentado, a avaliação inicial pela USG confirmou a hipótese diagnóstica de DII, tendo dado celeridade à condução clínica. A entero-RM tem utilidade no estadiamento da doença, na medida em que caracteriza a extensão de alças acometidas, a presença de atividade da condição e complicações como fístulas e abscessos. A interação entre o médico solicitante e o radiologista é essencial para a assertividade dos métodos de imagem, o que possibilita a realização somente daqueles exames essenciais.

Consultoria médica:



Dra. Márcia Wehba Esteves Cavichio Consultora Médica em Gastroenterologia Pediátrica marcia.cavichio@grupofleury.com.br



Consultora médica em Radiologia Pediátrica lisa.ssuzuki@grupofleury.com.br



LEUCEMIA

linfoblástica aguda

leucemia linfoblástica aguda (LLA) é a neoplasia maligna mais frequente em crianças e corresponde a menos de um quarto das leucemias agudas em adultos. Enquanto a população pediátrica apresenta 90% de chance de sobrevida em cinco anos, nos adultos e nos idosos esse percentual cai para 35-55% e menos de 30%, respectivamente. Tal diferença se deve a diversas peculiaridades biológicas e à piora do desenlace com o progredir da idade.

Originária da transformação maligna de um precursor de linhagem linfoide B ou T, a LLA é desencadeada por várias aberrações genéticas, que incluem translocações Conheça as mutações presentes tanto na doença de células B quanto na de células T. cromossômicas, aneuploidias e mutações em genes responsáveis pela regulação do ciclo celular e desenvolvimento linfoide.

Nas últimas décadas, as taxas de cura e de sobrevida melhoraram substancialmente, sobretudo nas crianças, devido a avanços na compreensão da genética molecular na patogênese da doença, à incorporação da detecção de doença residual mensurável (DRM), ao refinamento de algoritmos de estratificação de risco, ao advento de novos agentes terapêuticos e à evolução do transplante alogênico de células-tronco hematopoéticas (TCTH). Dentre os novos agentes terapêuticos, figuram os anticorpos monoclonais, imunomoduladores e célula T com receptor quimérico de antígeno (CAR-T), além de diversas drogas modernas direcionadas a alvos moleculares que promovem a proliferação da célula leucêmica.

Os fatores predisponentes para o aparecimento da doença em indivíduos até então saudáveis abrangem a exposição a fatores ambientais, como pesticidas, radiação ionizante ou infecções da infância, bem como a suscetibilidade genética herdada, decorrente de síndromes congênitas como Down, Fanconi, ataxia telangiectasia, Bloom e Nijimegen; de variantes genéticas herdadas encontradas nos genes *ARID5B, IKZF1, CEBPE, CDKN2A/B, PIP4K2A, ETV6* [p.Arg359X]; da translocação Robertsoniana constitucional entre os cromossomos 15 e 21 e de polimorfismos de nucleotídeo único: rs12402181 no miR-3117 e rs62571442 no miR-3689d2.

O diagnóstico da LLA fica estabelecido por meio de testes laboratoriais, tais como o hemograma, o mielograma e a imunofenotipagem. Tão logo diagnosticada, é de fundamental importância a estratificação de risco para guiar o tratamento individualizado com o objetivo de obtenção da melhor resposta terapêutica. Fatores como idade, sexo e origem étnica, bem como características da doença, a exemplo de infiltração em sistema nervoso central, leucometria ao diagnóstico, linhagem B ou T e aspectos genéticos e genômicos da célula leucêmica,

são relevantes para a estratificação de risco. Nesse contexto, a análise genética configura ferramenta indispensável e é feita por meio do cariótipo, da hibridação *in situ* por fluorescência (FISH) e do sequenciamento de nova geração (SNG) de genes relacionados à doença.

Na quinta edição da Classificação das Neoplasias Hematolinfoides da OMS, a nova nomenclatura da doença baseou-se nos eventos moleculares, uma vez que há outros métodos de detecção das alterações, além do cariótipo.

A seguir, estão detalhadas as anormalidades cromossômicas recorrentes e as mutações gênicas relacionadas tanto para LLA de células B (LLA-B) como para LLA de células T (LLA-T).

LLA-B

A elevada hiperdiploidia (ganho de, pelo menos, cinco cromossomos) é observada em 25% das crianças e em menos de 3% dos adolescentes ou adultos com LLA e associa-se a bom prognóstico. Esses pacientes têm, em adição, mutações em genes modificadores de histona, tais como, *CREBBP, WHSC1, SUV420H1, SETD2* e *EZH2*, ou na via de sinalização RTK-RAS, como *FLT3, NRAS, KRAS* e *PTPN11*, com frequentes mutações subclonais.

Já a LLA hipodiploide (menos de 44 cromossomos) compreende dois grupos com perfis transcricionais e alterações genéticas distintas: um próximo do haploide (24-31 cromossomos), com mutações ativadoras de *RAS* e de *IKZF3*, raro mesmo em crianças (2%) e em adolescentes e adultos jovens (AAJ) (1%); e outro de baixa hipodiploidia (32-39 cromossomos), que apresenta alterações em *TP53* (em geral, herdada), *IKZF2* e *RB1*, com desenlace muito desfavorável.

A amplificação intracromossômica do 21 (iAMP21) é mais comum em crianças com mediana de idade de 9-10 anos, entretanto o valor prognóstico dessa anomalia permanece duvidoso.

Em relação às translocações, a t(9;22)(q34.1;q11), conhecida como cromossomo Philadelphia ou rearranjo *BCR::ABL1*, tem sua frequência aumentada com o progredir da idade, uma vez que aparece em 2% a 5% das crianças, 6% dos AAJ e em mais de 25% dos adultos, associando-se a prognóstico desfavorável, embora o tratamento com antitirosinoquinase leve a uma melhora substancial no desfecho. Pacientes com essa translocação apresentam ainda mutações no *IKZF1*, que também desfavorece o prognóstico.

A LLA Philadelphia-símile, ou *BCR::ABL1*-símile, foi descrita mais recentemente, após análises por SNG, e se caracteriza por apresentar assinatura gênica similar à LLA Philadelphia ou com *BCR::ABL1*, porém sem a presença da translocação ou do rearranjo. As alterações genômicas desse novo subtipo afetam fatores de transcrição linfoide B, receptores de citocinas e sinalização de quinase de tirosina. Entre os genes mutados, identificáveis por FISH ou por SNG, estão *CRLF2* (*IGH::CRLF2* e *P2RY8::CRLF2*, em 50% dos casos), rearranjos de genes da classe tirosinoquinase ABL (*ABL1*, *ABL2*, *CSFR1*, *PDGFRA* e *PDGFRB*, em 12%), rearranjos *JAK2* (5-10%), mutações *EPOR* (3-10%), mutações ativadoras na via *JAK-STAT* (*JAK1*, *JAK2*, *TLT3*, *ILR7*, *SH2B3* e *TSLP*, em

A incidência de LLA Philadelphia-símile varia de 10%, na infância, para 20%, em adultos, e 25-30%, em AAJ. Há segmentação dos subtipos de quinases de tal forma que rearranjos *ABL* ocorrem mais

10%) e via de sinalização RAS (NRAS, KRAS e PTPN11,

em 2-8%), além de outras guinases menos comuns

(FLT3, NTRK3 e FGFR1).

em crianças e adolescentes. Já *CRLF2* e mutações ativadoras de sinalização *RAS* são mais comuns em adolescentes, mutações *EPOR*, em AAJ, e *JAK2*, em adultos. A LLA Philadelphia-símile se associa a prognóstico desfavorável, ainda que o uso de inibidores de tirosinoquinase com alvo em *ABL1* e *JAK2* melhore a reposta.

O rearranjo do gene *KTM2A* (localizado no 11q23), anteriormente denominado *MLL*, tem distribuição bifásica, com mais de 80% dos casos em lactentes (entre 0 e 1 ano) e cerca de 5% em crianças e AAJ, aumentando para 15% em adultos. Está associado a prognóstico bastante desfavorável. Os lactentes com LLA e rearranjo *KTM2A* apresentam poucas mutações adicionais, o que sugere que essa aberração genética é capaz de, sozinha, induzir a transformação leucêmica.

A LLA com t(12;21)(p13;q22), ou fusão dos genes *ETV6::RUNX1* (anteriormente denominados *TEL* e *AML1*) é frequente em crianças (30%), rara em AAJ e adultos e se associa a prognóstico favorável. Não pode ser identificada pelo cariótipo e, sim, pela FISH ou por SNG.

A LLA *ETV6::RUNX1*-símile tem perfil de expressão gênica semelhante à *ETV6::RUNX1*, porém não apresenta tal fusão. Seu perfil genômico é enriquecido por lesões em *ETV6* e *IKZF1* e deleções em *ARPP21*. Apesar de ser observada predominantemente em crianças, ainda assim é rara (3%), porém o prognóstico não está claro.

A t(1;19)(q23;p13.3), ou rearranjo *TCF3::PBX1 (TCF3* era anteriormente denominado *E2A)*, é encontrada em cerca de 5% dos casos de crianças e adultos e se associa a bom prognóstico. A maioria das translocações identificadas pelo cariótipo ou FISH ocorre na forma de der(19)(1;19). Outros parceiros de fusão do *TCF3* são *ZNF384* (12p13) e *HLF* (17q21). A translocação variante *TCF3::HLF* está presente em menos de 1% dos casos e confere prognóstico adverso.

A LLA com t(5;14)(q31;q32), ou *IGH::IL3*, acompanhase de eosinofilia. O gene *IGH* é estimulado pela justaposição ao *IL3*, levando à produção aumentada de interleucina 3 e à liberação de eosinófilos maduros no sangue periférico, que promovem sintomas graves. Associa-se frequentemente com deleções no *IKZF1*. A maioria dos pacientes é AAJ, com predomínio em homens (relação M 5:1 F). A resposta ao tratamento é pobre, com falha na indução e altos níveis de DRM, o que justifica o prognóstico intermediário.

O rearranjo gênico *DUX4::ERG* ocorre em 4% a 7% das LLA e causa a expressão aumentada de *DUX4* e desregulação ou deleção de *ERG*, com perda de sua função. Além disso, fusões com *DUX4* podem se acompanhar de deleções de *IKZF1, PAX5* e *CDKN2A/CDKN2B*, bem como por mutações ativadoras de *NRAS* e *KRAS*, além de *MYC, MYCBP2, MGA* e *ZEB2*. Há recorrência preferencial de fusões do gene *DUX4* em LLA de AAJ. O rearranjo confere bom prognóstico mesmo nos pacientes com alterações genômicas concomitantes desfavoráveis, como deleção no *IKZF1*, o que se dá em 40% dos casos.

A LLA com rearranjo do *MEF2D*, fator estimulador de miócito 2D, é observada em 4% das crianças e em 7% dos AAI, estando relacionada a desenlace

desfavorável. Pode se rearranjar com *BCL9, HNRNPUL1, SS18, FOXJ2, CSFR1* ou *DAZAP1,* que resultam em atividade transcricional aumentada. O rearranjo *MEF2D::ZNF384* se caracteriza por dois subgrupos de expressão distintos: *MEF2D,* com prognóstico desfavorável, e *ZNF384,* com hiperexpressão de genes da via *JAK-STAT* e *GATA3, CEBPA* e *CEPBB*. Esses casos podem ser tratados com a associação de inibidor da via *JAK-STAT*.

A LLA com *ZNF384* (anel de zinco 384) ocorre em 5% das crianças e em 10% dos AAJ, tendo, como parceiros, os genes *EP300*, *CREBBP*, *TAF15*, *SYNGR*, *EWSR1*, *TCF3*, *ARID1B*, *BMP2K* ou *SMARCA2*. Esse subtipo é, em geral, diagnosticado como fenótipo misto B/mieloide, com expressão de antígenos mieloides CD13 e CD33, além dos marcadores de linhagem B.

Os rearranjos do *IGH* com outros parceiros, além do *CRLF2* e *EPOR*, já descritos na Philadelphia-símile, tais como *CEBP* e *ID4*, ocorrem em 10% dos AAJ e conferem prognóstico desfavorável.

O gene *PAX5* age como supressor tumoral quando em haploinsuficiência, com alterações em 31% das LLA-B. Rearranjos de *PAX5* com diferentes parceiros são relatados em 2% a 3% das LLA.

Lista das principais alterações genéticas identificadas pelo cariótipo nos diferentes subtipos de LLA-B, de acordo com a quinta edição da Classificação da OMS (Alaggio *et al*, 2022)

LLA-B com elevada hiperdiploidia (de 51 a 65 cromossomos)

LLA-B com hipodiploidia (<44 cromossomos)

LLA-B com iAMP 21

LLA-B com fusão BCR:: ABL1 [ou t(9;22)(q34;q11.2)]

LLA-B com fusão BCR::ABL1-símile

LLA-B com rearranjo KTM2A [ou t(v;11q23)]

LLA-B com fusão *ETV6:: RUNX1* [ou t(12;21)(p13.2;q22.1)]

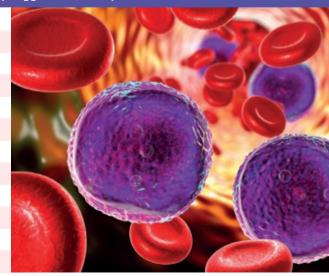
LLA-B com fusão ETV6:: RUNX1-símile

LLA-B com fusão *TCF3::PBX1* [ou t(1;19)(g23;p13.3)]

LLA-B com fusão /GH::/L3 [ou t(5;14)(q31.1;q32.1)]

LLA B com fusão TCF3::HLF

LLA-B com outras anormalidades genéticas definidas



As delecões de IKZF1 ocorrem de forma concomitante a delecões em CDKN2A, CDKN2B, PAX5 ou PAR1, na ausência de deleções ERG. Esse subgrupo está presente em 6% das LLA pediátricas e se associa a prognóstico muito desfavorável.

LLA-T

Resultante de um processo de múltiplas etapas, no qual as mutações genéticas se acumulam e alteram o controle normal de crescimento celular, diferenciação, proliferação e sobrevida durante a timopoese, a LLA-T é mais comum em adultos que em crianças (25% e 15%, respectivamente) e no sexo masculino, com hiperleucocitose, rápida infiltração e massa mediastinal, além de envolvimento do sistema nervoso central. A genética é heterogênea, com a presença de anormalidades cromossômicas em grande parte dos pacientes. As principais vias oncogênicas, em 80% dos casos, são as mutações que promovem ativação constitutiva de sinalização do gene NOTCH1 ou a perda de função do gene FBXW7. Observa-se perda de genes supressores tumorais p16(INK4A) e p14(ARF) no locus CDKN2A em 70% das LLA-T, o que sugere que a ativação constitutiva da sinalização NOTCH1 coopera com deleções no CDKN2A para promover a oncogênese.

A LLA de precursor T precoce tem menor frequência das alterações clássicas da LLA-T acima descritas, mas alta prevalência de mutações em FLT3, N/KRAS, DNMT3A, IDH1/2, JAK3 e ETV6, semelhantes ao que se vê em leucemia mieloide aguda, e o prognóstico é adverso.

Em 50% das LLA-T, a translocação cromossômica justapõe o gene de fator de transcrição sob o

Alaggio et al. Leukemia 2022, https://doi.org/10.1038/s41375-022-01620-2 Chaeer et al. Curr Hematol Malign Rep 2020, https://doi.org/10.1007/s11899-020-00582-5 Coccaro et al. Int J Mol Sci, 2019,20: 2929. Fournier et al. Frotn Oncol 2019, 9: 1374. Kico IM & Mulligan CG. Nat Rev Can 2021, 21(2):122-137 Lato et al. Int J Mol Sci 2021,22: 4502 Malard F& Mohty M. Lancet, 2020; 395:1146-62. Pui CH. 2020, https://doi.org/10.1007/s11684-20-0759-8

Rowsey et al. Blood Cancer Journal (2019) 9: 81 https://doi.org/10.1038/

controle de promotores de célula T (receptor de célula T α , β e δ). A expressão aumentada de fatores de transcrição oncogênicos inclui TAL1, TAL2, LYL1, OLIG2, LMO1, LMO2, TLX1 (HOX11), TLX3 (HOX11L2), NKX2-1, NKX2-2, NKX2-5, HOXA, MYC, MYB e TAN1. Mais raramente, essas translocações resultam de perda de fatores de transcrição importantes para a supressão de tumor, como WT1, LEF1, ETV6, BCL11B, RUNX1 ou GATA3.

Em quase 25% dos casos de LLA-T ocorrem mutações que levam à perda de função ou deleções de AZH2 e SUZ12, que codificam dois componentes importantes do complexo PRC2, envolvido na modificação de cromatina. O gene PHF6, que também tem função epigenética, está deletado em 16% dos pacientes pediátricos e em 38% dos adultos com LLA-T. Outras alterações nas vias de tradução de sinais são observadas, como a perda de PTEN, um regulador de via PI3K-AKT (5-10% dos casos) e rearranjos ABL1 para formar fusões gênicas com NUP214, EML e ETV6 (8%).

Mutações no gene DNMT3A, que habitualmente são encontradas em neoplasia mieloide, também podem ser detectadas nas LLA-T em 10% dos casos e se associam a prognóstico desfavorável. Essas alterações aumentam de incidência com o progredir da idade.

Em conclusão, longe de esgotar o tema, já que nem todas as aberrações estão aqui detalhadas e outras novas são continuamente descritas, percebese que essa riqueza de dados permite aprofundar o conhecimento da fisiopatogenia molecular da doença, melhorar a estratificação de risco e promover tratamento individualizado.

Consultoria médica:



Dra. Aline dos S. Borgo Perazzio Consultora médica em Hematologia aline.perazzio@grupofleury.com.br



Dra. Maria de Lourdes Chauffaille Consultora médica em Citogenética e Hematologia lourdes.chauffaille@grupofleury.com.br

Ficha técnica

Painel genético para leucemia linfoblástica aguda

Método: Seguenciamento de nova geração (SNG)

Amostra: sangue periférico ou medula óssea

Prazo de resultados: em até 15 dias

Genes analisados: ABL1 (4-9); AFF1 (completo); ATM (completo); BRAF (6, 11-16, 18); CDKN2A (completo); CDKN2B (completo); CREBBP (completo); CRLF2 (completo); ERG (completo); ETV6 (completo); FAT1 (2‡; 8; 9; 10‡; 13; 16; 21; 22‡; 25‡; 27‡); FAT3 (1‡; 9‡; 10; 11; 15; 18‡; 23‡; 25‡); FBXW7 (9-12); FLT3* (11, 14-21); GATA3 (completo); IKZF1 (completo); IKZF2 (completo); IKZF3 (completo); IL7R (completo); IAK1 (completo); IAK2 (completo); JAK3 (completo); KRAS (completo); LEF1 (1, 2 e 3); LYL1 (completo); MLLT1 (completo); NOTCH1 (3-6, 8, 10, 13, 15, 17, 18, 20, 25-28, 32-34); NRAS (2 e 3); P2RY8 (completo); PAX5 (completo); PHF6 (completo); PTEN(completo); PTPN11(1-4, 6-13); RB1(completo); RUNX1(completo); SH2B3(completo); STAT3(completo); STAT5B (completo); TCF3 (completo); TET2 (1); TLX3 (completo); TP53 (completo); TYK2 (completo); U2AF1 (2, 6, 8); WT1 (completo).

Fusões	s gênicas								
KMT2A	SEPT9	BCR	ABL1	IKZF1	TYW1	DEK	NUP214	ACIN1	NUTM1
KMT2A	MLLT10	ETV6	ABL1	IKZF1	DNAH14	SET	NUP214	CUX1	NUTM1
KMT2A	MLLT3	NUP214	ABL1					IKZF1	NUTM1
KMT2A	MLLT6	RANBP2	ABL1	NOTCH1	GABBR2	BCR	PDGFRA	SLC12A6	NUTM1
KMT2A	ACTN4	RCSD1	ABL1	NOTCH1	SEC16A	FIP1L1	PDGFRA		
KMT2A	EPS15							FLT3	MYO18A
KMT2A	MLLT11	PAG1	ABL2	BCR	JAK2	AGGF1	PDGFRB	RUNX1	RUNX1T.
KMT2A	MLLT4	RCSD1CRLF2	ABL2	PAX5	JAK2	DOCK2	PDGFRB	STIL	TAL1
KMT2A	SEPT6	ZC3HAV1	ABL2	PCM1	JAK2	EBF1	PDGFRB	ERG	DUX4
KMT2A	ABI1			SEC31A	JAK2	SATB1	PDGFRB	ERG	FUS
KMT2A	ELL	ETV6	FLT3	SSBP2	JAK2			TCF3	HLF
KMT2A	AFF1	ETV6	ITPR2	STRN3	JAK2	PICALM	MLLT10	TCF3	PBX1
KMT2A	CEP170B	ETV6	JAK2			IGHJ5	EPOR	RBM15	MKL1
KMT2A	SEPT2	ETV6	MN1	FGFR1	PLAG1	IKZF2	ERBB4		
KMT2A	AFF4	ETV6	NTRK3	FGFR1	TACC1			EP300	ZNF384
KMT2A	AFF3	ETV6	PDGFRB	FGFR1	ZNF703	NF1	ASIC2	TCF3	ZNF384
KMT2A	TET1	ETV6	RUNX1	FGFR1	BAG4			CREBBP	ZNF384
KMT2A	(KNL1)CASC5	ETV6	MNX1	FGFR1	ERLIN2	MEF2D	BCL9		
KMT2A	ARHGAP26	ETV6	MECOM			MEF2D	DAZAP1		
KMT2A	CREBBP			MEF2D	CSF1R	MEF2D	HNRNPUL1		
KMT2A	FOXO3	IGHJ5	CRLF2	SSBP2	CSF1R				
KMT2A	SEPT5	IGHJ6	CRLF2			MEF2D	SS18		
KMT2A	GAS7	P2RY8	CRLF2						
KMT2A	EP300		1100		911				
KMT2A	MLLT1			ME					
KMT2A	CASP8AP2			111					



Teste de triagem é usado para identificar, por meio de **sequenciamento de nova geração (NGS)**, indivíduos com risco de ter uma criança com determinadas condições genéticas com tais padrões de herança

xistem mais de 5.000 doenças para as quais a etiologia genética já foi elucidada, um número que cresce continuamente. Como muitas dessas condições têm padrão de herança autossômico recessivo ou ligado ao X, além de serem individualmente raras, a maioria dos pacientes afetados não apresenta história familiar evidente específica para a doença. Contudo, seus genitores, exceto nos casos de mutação *de novo*, são portadores da alteração heterozigótica.

Quase sempre as pessoas desconhecem seu risco reprodutivo para enfermidades de etiologia genética passíveis de transmissão ao concepto. Mas se ambos os membros de um casal forem portadores heterozigóticos de um gene alterado para uma mesma condição autossômica recessiva, há 25% de chance, em cada gestação, de concepção de uma criança afetada. Sabe-se que aproximadamente 1-2% dos casais não consanguíneos se enquadram nesse cenário e que o risco aumenta consideravelmente nos consanguíneos.

O painel genético para portadores de doenças recessivas e ligadas ao X é um teste de triagem usado para identificar, por meio de sequenciamento de nova geração (NGS), indivíduos com risco de ter uma criança com determinadas condições genéticas com tais padrões de herança.

Uma vez que a sociedade moderna global é formada basicamente por famílias multiétnicas, o exame abrange uma ampla gama de doenças prevalentes nas mais diversas populações e inclui, sobretudo, quadros que causam impacto significativo na vida do indivíduo afetado ou para os quais já existem intervenções capazes de alterar o desfecho clínico quando feitas precocemente.

O teste pode ser oferecido a todos os casais que planejam engravidar, independentemente da história familiar de cada um, e deve levar em consideração os desejos e valores pessoais dos genitores. Os resultados, que requerem criteriosa interpretação, são individuais e possibilitam decisões reprodutivas bem embasadas.

Vale ressaltar que há muitas doenças não contempladas pelo painel e que, mesmo diante da ausência de identificação de variantes patogênicas para uma mesma condição no casal, o risco de prole acometida por alguma enfermidade ainda existe. Dessa forma, tanto antes quanto após o teste, o aconselhamento genético é fundamental.

Principais objetivos dos testes genéticos pré-concepção para avaliação de portadores de doenças recessivas:

- Identificar indivíduos com risco de transmitir uma doença hereditária autossômica recessiva à prole
- Fornecer aconselhamento reprodutivo bem embasado
- Garantir autonomia de decisão reprodutiva, que inclui planejamento pré-concepção, fertilização *in vitro*, teste genético pré-implantação, diagnóstico pré-natal e assistência direcionada na gestação e no período neonatal

Painel genético para portadores de doenças recessivas e ligadas ao X expandido

Apresenta as mesmas características do painel genético para portadores de doenças recessivas e ligadas ao X, incluindo a avaliação dos 330 genes por NGS e, adicionalmente, analisa os genes *SMN1* e *SMN2* por MLPA (amplificação multiplex de sondas dependente de ligação) para o estabelecimento do número de cópias do exon 7, e o gene *FMR1* por meio de análise de fragmentos.

Consultoria médica:



Dra. Caroline Olivati
Consultora Médica em Genética
caroline.olivati@grupofleury.com.br



Dr. Wagner Antonio da Rosa Baratela Consultor Médico em Genética wagner.baratela@grupofleury.com.br

Ficha técnica

Painel genético para portadores de doenças recessivas e ligadas ao X

Método

NGS das regiões codificantes e adjacentes aos éxons de 330 genes. O ensaio permite a identificação de variantes de nucleotídeo único (SNV), pequenas inserções e deleções (indel), bem como variações no número de cópias (CNV) que compreendam três ou mais éxons dos genes estudados

AAAS, ABCB11, ABCC6, ABCC8, ABCD1, ACADM, ACADS, ACADSB, ACADVL, ACAT1, ACOX1, ADA, ADAMTS2, ADAR, ADGRG1 (GPR56), AGA, AGL, AGPS, AGXT, AIRE, ALDH3A2, ALDH7A1, ALDOB, ALG6, ALPL, AMT, AP1S1, AP3B1, AR, ARSA, ARSB, ASL, ASNS, ASPA, ASS1, ATM, ATP13A2, ATP6V1B1, ATP7B, BBS1, BBS10, BBS12, BBS2, BBS4, BBS7, BBS9, BCKDHA, BCKDHB, BCS1L, BLM, BSND, BTD, CANT1, CAPN3, CBS, CDH23, CEP290, CERKL, CFTR, CHAT, CHM, CHRNE, CLN3, CLN5, CLN6, CLN8, CLRN1, CNGA3, CNGB3, COL4A3, COL4A4, COL4A5, COL7A1, COLQ, CPT1A, CP72, CRB1, CRPPA (ISPD), CTNS, CTSD, CTSF, CTSK, CYP11B1, CYP11B2, CYP17A1, CYP19A1, CYP1B1, CYP21A2, CYP27A1, CYP27B1, DBT, DCLRE1C, DHCR7, DHDDS, DKC1, DLD, DMD, DNAH5, DNA11, DNA12, DNAJC5, DOK7, DPYD, DYSF, EDA, EDAR, EMD, ERCC2, ETFA, ETFB, ETFDH, ETHE1, EXOSC3, EYS, F11, F8, F9, FAH, FAM161A, FANCA, FANCC, FANCG, FH, FKRP, FKTN, G6PC, G6PD, GAA, GALC, GALE, GALK1, GALNT3, GALT, GAMT, GBA, GBE1, GCDH, GCSH, GDF5, GFPT1, GJB1, GJB2, GJB6, GLA, GLB1, GLDC, GNE, GNPAT, GNPTAB, GNPTG, GNS, GORAB, GRHPR, GRN, GUCY2D, HADH, HADHA, HADHB, HAX1, HBA1, HBA2, HBB, HEPACAM, HEXA, HEXB, HGD, HGSNAT, HJV (HFE2), HLCS, HMGCL, HOGA1, HPRT1, HPS1, HPS3, HPS4, HPS5, HPS6, HSD17B3, HSD17B4, HSD3B2, IDS, IDUA, IKBKAP, IL2RG, IVD, KCNJ11, KCTD7, L1CAM, LAMA3, LAMB3, LAMC2, LARGE1 (LARGE), LCA5, LHCGR, LIFR, LIPA, LIPH, LOXHD1, LPL, LRPPRC, LYST, MAN2B1, MCCC1, MCCC2, MCCI, NACC2, MCCI, NACC1, MACC1, MAC

Genes analisados

FANCA, FANCC, FANCG, FH, FKRP, FKTN, G6PC, G6PD, GAA, GALC, GALE, GALKI, GALNT3, GALT, GAMT, GBA, GBEI, GCDH, GCSH, GDF5, GFPT1, GJB1, GJB2, GJB6, GLA, GLB1, GLDC, GNE, GNPAT, GNPTAB, GNPTG, GNS, GORAB, GRHPR, GRN, GUCY2D, HADH, HADHA, HADHB, HAX1, HBA1, HBA2, HBB, HEPACAM, HEXA, HEXB, HGD, HGSNAT, HJV (HFE2), HLCS, HMGCL, HOGA1, HPRT1, HPS1, HPS3, HPS4, HPS5, HPS6, HSD17B3, HSD17B4, HSD3B2, IDS, IDUA, IKBKAP, IL2RG, IVD, KCNJ11, KCTD7, L1CAM, LAMA3, LAMB3, LAMC2, LARGE1 (LARGE), LCA5, LHCGR, LIFR, LIPA, LIPH, LOXHD1, LPL, LRPPRC, LYST, MAN2B1, MCCC1, MCCC2, MCOLN1, MED17, MEFV, MFSD8, MKKS, MKS1, MLC1, MMAA, MMAB, MMADHC, MPI, MPL, MPV17, MRE11A, MTHFR, MTM1, MTTP, MUT, MYO7A, NAGLU, NAGS, NBN, NDUFAF6, NEB, NPC1, NPC2, NPHS1, NPHS2, NR2E3, NTRK1, OPA3, OTC, PAH, PCCA, PCCB, PCDH15, PDHA1, PDHB, PEPD, PET100, PEX1, PEX10, PEX12, PEX2, PEX26, PEX6, PEX7, PFKM, PHGDH, PKHD1, PMM2, POLG, POMGNT1, POMT1, POMT2, PPT1, PRPS1, PSAP, PUS1, PYGL, PYGM, RAB23, RAG1, RAG2, RAPSN, RARS2, RDH12, RNASEH2A, RNASEH2B, RNASEH2C, RPE65, RS1, RTEL1, SACS, SAMD9, SAMHD1, SBDS, SEPSECS, SERPINA1, SGCA, SGCB, SGCG, SGSH, SLC12A3, SLC12A6, SLC17A5, SLC22A5, SLC25A15, SLC26A2, SLC26A4, SLC35A3, SLC37A4, SLC39A4, SLC4A11, SLC6A8, SMPD1, ST3GAL5, STAR, STS, SUMF1, TAT, TCIRG1, TECPR2, TFR2, TGM1, TH, TMEM216, TPP1, TREX1, TRIM37, TSEN2, TSEN34, TSEN54, TTC8, TTN, TTPA, UBR1, UGT1A1, USH1C, USH2A, VPS13A, VPS53, VRK1, XPA, XPC e ZFYVE26

Amostra

Sangue periférico ou saliva/swab (kit de coleta)

Prazo do resultado

30 dias corridos

38 GENÔMICA_

Painel gen	ético para portadores de de
Gene	Principais doenças associadas
AAAS	Síndrome triplo A (acalasia, alacrimia, doença de Addison)
ABCB11	Colestase intra-hepática familiar
ABCC6	progressiva tipo 2 (PFIC tipo 2) Pseudoxantoma elástico
	Diabetes mellitus neonatal;
ABCC8	hiperinsulinismo congênito; diabetes tipo MODY
ABCD1	Adrenoleucodistrofia; adrenomieloneuropatia
ACADM	Deficiência de acil-CoA desidrogenase de cadeia média
ACADS	Deficiência de acil-CoA desidrogenase de cadeia curta
ACADSB	Acidúria 2-metilbutírica
ACADVL	Deficiência de desidrogenase de cadeia muito longa de acil-CoA
ACAT1	Acidúria metilacetoacética
ACOX1	Deficiência da acil-CoA oxidase peroxisomal
ADA	Imunodeficiência combinada grave por deficiência de ADA
ADAMTS2	Síndrome de Ehlers-Danlos
ADAR ADGRG1	Síndrome de Aicardi-Goutières Polimicrogiria, bilateral,
(GPR56)	frontoparietal
AGA	Aspartilglucosaminúria
AGL	Doença do armazenamento do glicogênio
AGPS	Condrodisplasia punctata rizomélica
AGXT	Hiperoxalúria primária tipo 1
AIRE	Poliendocrinopatia autoimune tipo 1 (Apeced)
ALDH3A2	Síndrome de Sjogren-Larsson
ALDH7A1	Epilepsia dependente de piridoxina
ALDOB	Intolerância à frutose hereditária
ALG6	Doença congênita daa glicosilação tipo 1c
ALPL	Hipofosfatasias; odonto- hipofosfatasia
AMT AP1S1	Encefalopatia por glicina Síndrome Mednik
AP3B1	Síndrome de Hermansky-Pudlak tipo 2
AR	Síndrome de insensibilidade aos andrógenos
ARSA	Leucodistrofia metacromática
ARSB	Mucopolissacaridose tipo VI
ASL	Acidúria argininossuccínica Deficiência de asparagina
ASNS	sintetase
ASPA ASS1	Doença de canavan Citrulinemia
ATM	Ataxia-telangiectasia
ATP13A2 ATP6V1B1	Síndrome de Kufor-Rakeb Acidose tubular renal com surdez
ATP7B	Doença de Wilson
BBS1	Síndrome de Bardet-Biedl
BBS10	Síndrome de Bardet-Biedl Síndrome de Bardet-Biedl
BBS12 BBS2	Sindrome de Bardet-Biedl
BBS4	Síndrome de Bardet-Biedl
BBS7	Síndrome de Bardet-Biedl
BBS9 BCKDHA	Síndrome de Bardet-Biedl Doença da urina do xarope de
BCKDHB	bordo Doença da urina do xarope de
BCS1L	bordo Síndrome de Bjornstad
BLM	Síndrome de Bloom
BSND	Síndrome de Bartter
BTD CANT1	Deficiência de biotinidase Osteocondrodisplasia (displasia
CAPN3	de Desbuquois) Distrofia muscular
CBS	Homocistinúria por deficiência de
CDH23	cistationina betassintase Surdez hereditária
CEP290	Síndrome de Bardet-Biedl
ista médica	#12

ças recess	
Gene	Principais doenças associadas
CERKL	Retinite pigmentosa
CFTR CHAT	Fibrose cística
СНАІ СНМ	Miastenia congênita Coroideremia
CHRNE	Síndrome miastênica congênita
CLN3	Lipofuscinose ceroide neuronal
CLN5	Lipofuscinose ceroide neuronal
CLN6	Lipofuscinose ceroide neuronal
CLN8	Lipofuscinose ceroide neuronal
CLRN1	Síndrome de Usher
CNGA3	Acromatopsia
CNGB3	Acromatopsia
COL4A3	Síndrome de Alport autossômica recessiva
COL4A4	Síndrome de Alport autossômica recessiva
COL4A5	Síndrome de Alport ligada ao X
COL7A1	Epidermólise bolhosa
COLQ	Miastenia congênita
CPT1A	Deficiência de carnitina
CPT2	palmitoiltransferase IA Deficiência de carnitina
	palmitoiltransferase 2
CRB1	Amaurose congênita de Leber / retinite pigmentosa
CRPPA	Distrofia muscular congênita por
(ISPD)	distroglicanopatia
CTSD	Cistinose nefropática
CTSD CTSF	Lipofuscinose ceroide neuronal Lipofuscinose ceroide neuronal
CTSK	Picnodisostose
	Hiperplasia adrenal por deficiência
CYP11B1	de 11-beta-hidroxilase
CYP11B2	Hipoaldosteronismo congênito
CYP17A1	Deficiência combinada de
	17⊠-hidroxilase/17,20-liase
CYP19A1	Deficiência de aromatase
CYP1B1	Glaucoma congênito / disgenesia de segmento anterior
CYP21A2	Hiperplasia congênita da adrenal devido à deficiência de 21-hidroxilase
CYP27A1	Xantomatose cerebrotendinosa
CYP27B1	Raquitismo dependente de vitamina D
DBT	Doença da urina do xarope de bordo
DCLRE1C	Síndrome de Omenn
DHCR7	Síndrome de Smith-Lemli-Opitz
DHDDS	Doença congênita da glicosilação / retinite pigmentosa
DKC1	Disceratose congênita ligada ao X
DLD	Doença da urina do xarope de bordo
DMD	Distrofia muscular de Duchenne e de Becker
DNAH5	Discinesia ciliar primária
DNAI1	Discinesia citiar primaria
DNAI2	Discinesia citiar primaria
DNAJC5	Lipofuscinose ceroide neuronal
DOK7	Miastenia congênita
DPYD	Deficiência da dihidropirimidina desidrogenase
DYSF	Distrofia muscular
EDA	Displasia ectodérmica hipoidrótica ligada ao X
EDAR	Displasia ectodérmica hipoidrótica autossômica recessiva
EMD	Distrofia muscular de Emery-
ERCC2	Dreifuss Síndrome cerebro-óculo-facio-
ETFA	esquelético Acidemia glutárica
ETFB	Acidemia glutárica
ETFDH	Acidemia glutárica
ETHE1	Encefalopatia etilmalônica
EXOSC3	Hipoplasia pontocerebelar
	Retinite pigmentosa
EYS	Netifite pigriferitosa

Gene	Principais doenças associadas
F9	Hemofilia B
FAH	Tirosinemia tipo I
FAM161A	Retinite pigmentosa
FANCA	Anemia de Fanconi
FANCC	Anemia de Fanconi
FANCG	Anemia de Fanconi
FH	Deficiência de fumarase
FKRP	Distrofia muscular
FKTN	Distrofia muscular / Cardiomiopatia dilatada
FMR1	Síndrome do X frágil (apenas no teste expandido)
	Doença de armazenamento de
G6PC	glicogênio
G6PD	Anemia hemolítica por deficiência
	de G6PD
GAA	Doença de Pompe
GALC	Doença de Krabbe
GALE GALK1	Galactosemia Deficiência de galactoquinase
GALNT3	Calcinose tumoral
GALIVIS	Galactosemia
	Deficiência de guanidinoacetato
GAMT	metiltransferase
GBA	Doença de Gaucher
GBE1	Doença de armazenamento de
	glicogênio
GCDH	Acidemia glutárica
GCSH GDF5	Encefalopatia por glicina Displasia acromesomélica
GDF5 GFPT1	Miastenia congênita
	Neuropatia de Charcot-Marie-
GJB1	Tooth
GJB2	Surdez hereditária
GJB6	Surdez hereditária
GLA	Doença de Fabry
GLB1	Gangliosidose
GLDC	Encefalopatia por glicina
GNE	Miopatia de Nonaka
GNPAT	Condrodisplasia punctata rizomélica
GNPTAB	Mucolipidose
GNPTG	Mucolipidose
GNS	Mucopolissacaridose
GORAB	Gerodermia osteodisplásica
GRHPR	Hiperoxalúria primária
GRN	Lipofuscinose ceroide neuronal
GUCY2D	Amaurose congênita de Leber
HADH	Deficiência de 3-hidroxiacil-CoA desidrogenase
	Deficiência de hidroxiacil-CoA
HADHA	desidrogenase de cadeia longa
HADHB	Deficiência de proteína trifuncional
HAX1	Neutropenia congênita
HBA1	Alfa-talassemia
HBA2	Alfa-talassemia
HBB	Anemia falciforme; beta talassemia
HEPACAM	Leucoencefalopatia megalencefálica
HEXA	Doença de Tay-Sachs
HEXB	Doença de Sandhoff
HGD	Alcaptonúria
HGSNAT	Mucopolissacaridose
HJV (HFE2)	Hemocromatose
HLCS	Deficiência de sintetase de
	holocarboxilase
HMGCL	Deficiência de 3-hidroxi-3- metilglutaril-CoA liase
HOGA1	Hiperoxalúria primária
HPRT1	Síndrome Lesch-Nyhan
HPS1	Síndrome de Hermansky-Pudlak
HPS3	Síndrome de Hermansky-Pudlak
HPS4	Síndrome de Hermansky-Pudlak
HPS5 HPS6	Síndrome de Hermansky-Pudlak Síndrome de Hermansky-Pudlak

Painel gen	ético para portadores de d
Gene	Principais doenças associadas
HSD17B3	Pseudo-hermafroditismo masculino
HSD17B4	Deficiência de proteína D-bifuncional / Síndrome de Perrault
HSD3B2	Deficiência de 3-beta- hidroxiesteroide desidrogenase
IDS	Mucopolissacaridose tipo II
IDUA	Mucopolissacaridose tipo I
IKBKAP	Disautonomia familiar Imunodeficiência combinada
IL2RG	grave combinada
IVD	Acidemia isovalérica
KCNJ11	Diabetes neonatal; diabetes tipo MODY; hipoglicemia hiperinsulinêmica
KCTD7	Epilepsia mioclônica progressiva
L1CAM	Agenesia de corpo caloso /
LAMA3	Hidrocefalia Epidermólise bolhosa
LAMB3	Epidermotise bothosa
LAMC2	Epidermólise bolhosa
LARGE1	Distrofia muscular
(LARGE) LCA5	Amaurose congênita de Leber
LHCGR	Hipoplasia das células de Leydig
LIFR	Síndrome de Stuve-Wiedemann
LII K	/ síndrome de Schwartz-Jampel
LIPA	Doença de armazenamento de éster de colesterol; doença de Wolman
LIPH	Hipotricose hereditária
LOXHD1	Surdez hereditária
LPL	Hiperlipoproteinemia
LRPPRC	Doença mitocondrial por deficiência do complexo IV
LYST	Síndrome de Chediak-Higashi
MAN2B1	Alfa-manosidose
MCCC1	Deficiência isolada de 3-metilcrotonil-CoA carboxilase Deficiência isolada de
MCCC2	3-metilcrotonil-CoA carboxilase
MCOLN1	Mucolipidose IV
MED17	Microcefalia pós-natal progressiva, com convulsões e atrofia cerebral
MEFV	Febre familiar do Mediterrâneo
MFSD8	Lipofuscinose ceroide neuronal
MKKS	Síndrome de Bardet-Biedl / Síndrome de McKusick-Kaufman Síndrome de Bardet-Biedl /
MKS1	Síndrome de Joubert / Síndrome de Meckel
MLC1	Leucoencefalopatia megalencefálica com cistos subcorticais
MMAA	Acidemia metilmalônica
MMAB	Acidemia metilmalônica
MMADHC MPI	Acidemia metilmalônica Defeito de glicosilação tipo B
	Trombocitopenia
MPL	amegacariocítica congênita
MPV17	Doença de Charcot-Marie-Tooth
MRE11A	Doença semelhante à ataxia telangiectasia
MTHFR	Homocistinúria
MTM1	Miopatia centronuclear
MTTP	Abetalipoproteinemia
мит	Acidúria metilmalônica por deficiência de metilmalonil-CoA mutase
	Surdez hereditária
MYO7A	Doença de Charcot-Marie-
MYO7A NAGLU	Tooth: mucopolissacaridose
NAGLU	Tooth; mucopolissacaridose Miopatia por deficiência de
NAGLU NAGS	Tooth; mucopolissacaridose
NAGLU NAGS NBN	Tooth, mucopolissacaridose Miopatia por deficiência de mioadenilato desaminase Síndrome de quebra de Nijmegen
NAGLU NAGS	Tooth, mucopolissacaridose Miopatia por deficiência de mioadenilato desaminase Síndrome de quebra de

Gene Principais doenças associade NPC2 Doença de Niemann-Pick NPHS1 Síndrome nefrótica NPHS2 Retinite pigmentosa NR2E3 Retinite pigmentosa NTRK1 Insensibilidade congênita à domanidrose OPA3 Acidúria 3-metilglutacônica tipo 3 OTC Deficiência de ornitina transcarbamilase PAH Fenilcetonúria PCCA Acidemia propiônica PCCB Acidemia propiônica PCCB Acidemia propiônica PCCB Acidemia propiônica PCCBH5 PCDH15 Surdez hereditária PDHA1 Deficiência de piruvato desidrogenase PEDD Deficiência de piruvato desidrogenase PEDD Deficiência de prolidase PET100 Doença mitocondrial por deficiência do complexo IV PEX1 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom PEX1 Defeito da biogênese do peroxissom PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX26 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom	or
NPHS1 Síndrome nefrótica NPHS2 Síndrome nefrótica NR2E3 Retinite pigmentosa NTRK1 Insensibilidade congênita à dom anidrose OPA3 Acidúria 3-metilglutacônica tipo 3 OTC Deficiência de ornitina transcarbamilase PAH Fenilcetonúria PCCA Acidemia propiônica PCCB Acidemia propiônica PCDH15 Surdez hereditária PCDH5 Surdez hereditária PDHA1 Deficiência de piruvato desidrogenase PDHB Deficiência de piruvato desidrogenase PEPD Deficiência de prolidase PEPD Deficiência de prolidase PET100 Doença mitocondrial por deficiência do complexo IV PEX1 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX10 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX26 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX7 peroxisomo /	to
NPHS2 Síndrome nefrótica NR2E3 Retinite pigmentosa Insensibilidade congênita à d com anidrose OPA3 Acidúria 3-metilglutacônica tipo 3 OTC Deficiência de ornitina transcarbamilase PAH Fenilcetonúria PCCA Acidemia propiônica PCCB Acidemia propiônica PCDH15 Surdez hereditária PDHA1 Deficiência de piruvato desidrogenase PEPD Deficiência de piruvato desidrogenase PEPD Deficiência de prolidase PEPD Deficiência de prolidase PET100 Doença mitocondrial por deficiência do complexo IV PEX1 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX10 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX8 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Sindrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PFKM Doença de armazenamento o glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Doença renal policística com sem doença hepática PMM2 Defeito congênito da glicosilação	to
NR2E3 Retinite pigmentosa NTRK1 Insensibilidade congênita à dorm anidrose OPA3 Acidúria 3-metilglutacônica tipo 3 OTC Deficiência de ornitina transcarbamilase PAH Fenilcetonúria PCCA Acidemia propiônica PCCB Acidemia propiônica PCCB Acidemia propiônica PCDH15 Surdez hereditária PDHA1 Deficiência de piruvato desidrogenase PDHB Deficiência de prolidase PEPD Deficiência de prolidase PEPD Deficiência de prolidase PET100 Deonça mitocondrial por deficiência do complexo IV PEX1 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom PEX10 Defeito da biogênese do peroxissom PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX26 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PFKM Doença de armazen	to
NTRK1 Insensibilidade congênita à de com anidrose OPA3 Acidúria 3-metilglutacônica tipo 3 OTC Deficiência de ornitina transcarbamilase PAH Fenilcetonúria PCCA Acidemia propiônica PCCB Acidemia propiônica PCCB Acidemia propiônica PCDH15 Surdez hereditária PDHA1 Deficiência de piruvato desidrogenase PDHB Deficiência de piruvato desidrogenase PEPD Deficiência de prolidase PET100 Doença mitocondrial por deficiência do complexo IV PEX1 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX10 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PFKM Doença de armazenamento desidrogenase PKHD1 Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Defeito congênito da glicosilação	to
Com anidrose Acidúria 3-metilglutacônica tipo 3 OTC Deficiência de ornitina transcarbamilase PAH Fenilcetonúria PCCA Acidemia propiônica PCCBI Acidemia propiônica PCDH15 Surdez hereditária PDHA1 Deficiência de piruvato desidrogenase PEPD Deficiência de piruvato desidrogenase PEPD Deficiência de prolidase PET100 Doença mitocondrial por deficiência do complexo IV Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX26 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX8 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito congênito da glicosilação	to
Acidúria 3-metilglutacônica tipo 3 Deficiência de ornitina transcarbamilase PAH Fenilcetonúria PCCA Acidemia propiônica PCCB Acidemia propiônica PCDH15 Surdez hereditária PDHA1 Deficiência de piruvato desidrogenase PDHB Deficiência de piruvato desidrogenase PEPD Deficiência de prolidase PEPD Deficiência de prolidase PET100 Doença mitocondrial por deficiência do complexo IV PEX1 Sindrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom PEX10 Defeito da biogênese do peroxissom PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Sindrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX8 Sindrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito a biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito da biogênese do PEX9 Defeito da biogênese do PEX9 Defeito da biogênese do PEX9 Defeito da biogênese Defeito d	
Deficiência de ornitina transcarbamilase PAH Fenilcetonúria PCCA Acidemia propiônica PCCB Acidemia propiônica PCDH15 Surdez hereditária PDHA1 Deficiência de piruvato desidrogenase PEPD Deficiência de prolidase PET100 Deença mitocondrial por deficiência do complexo IV PEX1 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX10 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX3 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX4 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PFKM Doença de armazenamento o glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Defeito congênito da glicosilação	
transcarbamilase PAH Fenilcetonúria PPCCA Acidemia propiônica PCCB Acidemia propiônica PCDH15 Surdez hereditária PDHA1 Deficiência de piruvato desidrogenase PDHB Deficiência de piruvato desidrogenase PEPD Deficiência de prolidase PET100 Deonça mitocondrial por deficiência do complexo IV Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom PEX1 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX8 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PFKM Doença de armazenamento o glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Defeito congênito da glicosilação	
PCCA Acidemia propiônica PCCB Acidemia propiônica PCCB Acidemia propiônica PCDH15 Surdez hereditária PDHA1 Deficiência de piruvato desidrogenase PDHB Deficiência de piruvato desidrogenase PEPD Deficiência de prolidase PET100 Dença mitocondrial por deficiência do complexo IV PEX1 Sindrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom PEX10 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX3 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX4 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX5 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Sindrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PEX7 Dença de armazenamento de glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Defeito congênito da glicosilação	
PCCB Acidemia propiônica PCDH15 Surdez hereditária PDHA1 Deficiência de piruvato desidrogenase PDHB Deficiência de piruvato desidrogenase PEPD Deficiência de prolidase PET100 Dença mitocondrial por deficiência do complexo IV PEX1 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom PEX10 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PFKM Doença de armazenamento de glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Doença renal policística com sem doença hepática PMM2 Defeito congênito da glicosilação	
PCDH15 Surdez hereditária PDHA1 Deficiência de piruvato desidrogenase PDHB Deficiência de piruvato desidrogenase PEPD Deficiência de prolidase PET100 Doença mitocondrial por deficiência do complexo IV PEX1 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom PEX10 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX26 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplastizomélica punctata PFKM Doença de armazenamento de glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Doença renal policística com sem doença hepática PMM2 Defeito congênito da glicosilação	
PDHA1 Deficiência de piruvato desidrogenase PDHB Deficiência de piruvato desidrogenase PEPD Deficiência de prolidase PET100 Doença mitocondrial por deficiência do complexo IV PEX1 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom PEX10 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX8 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX9 Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PFKM Doença de armazenamento desidrogenase PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Doença renal policística com sem doença hepática PMM2 Defeito congênito da glicosilação	
Deficiência de piruvato desidrogenase PEPD Deficiência de prolidase PET100 Dença mitocondrial por deficiência do complexo IV PEX1 Sindrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX10 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX3 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX4 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX5 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Sindrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PFKM Doença de armazenamento desidrogenase PKHD1 Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PMM2 Defeito congênito da glicosilação	
PEPD Deficiência de prolidase PET100 Doença mitocondrial por deficiência do complexo IV PEX1 Sindrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom PEX10 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX3 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX4 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX5 Sindrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo / Perio da biogênese do pe	
PEPD Deficiência de prolidase PET100 Doença mitocondrial por deficiência do complexo IV PEX1 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom PEX10 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX26 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PFKM Doença de armazenamento de glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Doença renal policística com sem doença hepática PMM2 Defeito congênito da glicosilação	
PET100 Doença mitocondrial por deficiência do complexo IV Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo PEX26 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata Doença de armazenamento oglicogênio Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Defeito congênito da glicosilação	
PEX1 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX26 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX66 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PFKM Doença de armazenamento o glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Defeito congênito da glicosilação	
PEX10 Defeito da biogênese do peroxissom Defeito da biogênese do peroxissomo Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata Doença de armazenamento glicogênio Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase Doença renal policística com sem doença hepática PMM2 Defeito congênito da glicosilação	
PEX10 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX12 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX26 Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Sindrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PFKM Doença de armazenamento desidrogenio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Defeito congênito da glicosilação	
PEX12 peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo Sindrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata Doença de armazenamento o glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Doença renal policística com sem doença hepática PMM2 Defeito congênito da glicosilação	
PEX2 peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo PEX6 Sindrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata Doença de armazenamento glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase Doença renal policística com sem doença hepática PMM2 Defeito congênito da glicosilação	
PEX2 Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo PEX26 Sindrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata Dença de armazenamento e glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Dença renal policística com sem doença hepática PMM2 Defeito congênito da glicosilação	
PEX26 PEX26 Defeito da biogênese do peroxissomo Sindrome de Heimler / Defeit da biogênese do peroxissom Defeito da biogênese do peroxissom PEX7 Defeito da biogênese do peroxissom / Condrodisplas rizomélica punctata PFKM Doença de armazenamento glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Doença renal policística com sem doença hepática PMM2 Defeito congênito da glicosilação	
peroxissomo Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata PFKM Doença de armazenamento glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase Doença renal policística com sem doença hepática Defeito congênito da glicosilação	
PEX6 Síndrome de Heimler / Defei da biogênese do peroxissom Defeito da biogênese do peroxissom PEX7 PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata Dença de armazenamento oglicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase PKHD1 Dença renal policística com sem doença hepática PMM2 Defeito congênito da glicosilação	
da biogênese do peroxissom Defeito da biogênese do PEX7 Defeito da biogênese do peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata Doença de armazenamento o glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase Doença renal policística com sem doença hepática Defeito congênito da glicosilação	to
PEX7 peroxissomo / Condrodisplas rizomélica punctata Doença de armazenamento e glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase Doença renal policística com sem doença hepática Defeito congênito da glicosilação	
rizomélica punctata Doença de armazenamento o glicogênio PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase Doença renal policística com sem doença hepática Defeito congênito da glicosilação	ia
pHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase Doença renal policística com sem doença hepática PMM2 Defeito congênito da glicosilação	
PHGDH Deficiência de fosfoglicerato desidrogenase Doença renal policística com sem doença hepática PMM2 Deficito congênito da glicosilação	do
desidrogenase PKHD1 Dença renal policística com sem doença hepática Defeito congênito da glicosilação	
sem doença hepática PMM2 Defeito congênito da glicosilação	
PMM2 Defeito congênito da glicosilação	OL
glicosilação	
POLG Síndrome de depleção do DN mitocondrial	lΑ
Distrofia muscular / Retinite	
pigmentosa	
POMT1 Distrofia muscular	
POMT2 Distrofia muscular PPT1 Lipofuscinose ceroide neuror	221
Síndromo do Arts / Doones d	
Charcot-Marie-Tooth	_
PSAP Doença de Krabbe atípica	
PUS1 Miopatia com acidose láctica	е
anemia sideroblástica Doença de armazenamento	de.
glicogênio	
PYGM Doença de McArdle	
RAB23 Síndrome poliglandular autoimune tipo 2	
Imunodoficiôncia combinada	
RAG1 grave	
RAG2 Imunodeficiência combinada	
grave RAPSN Miastenia congênita	
RARS2 Hipoplasia pontocerebelar	
RDH12 Amaurose congênita de Lebe	r
RNASEH2A Síndrome de Aicardi-Goutièr	es
RNASEH2B Síndrome de Aicardi-Goutièr	
RNASEH2C Imunodeficiência combinada grave	
Amauroso congônita do Lobo	er /
Retinite pigmentosa	/
RS1 Retinosquise	
RTEL1 Disqueratose congênita	
Ataxia espástica de Charlevoi Saguenay	
Sándrome Mirage	X-
SAMHD1 Síndrome de Aicardi-Goutièr	X-
SBDS Síndrome de Shwachman- Diamond	

Gene	Principais doenças associadas
SEPSECS	Hipoplasia pontocerebelar
	Deficiência de alfa-1 antitripsina
SERPINA1	(enfisema, cirrose)
SGCA	Distrofia muscular
SGCB	Distrofia muscular
SGCG	Distrofia muscular
SGSH	Mucopolissacaridose
SLC12A3	Síndrome de Gitelman
SLC12A6	Agenesia de corpo caloso com neuropatia periférica
SLC17A5	Doença de Salla
SLC22A5	Deficiência de carnitina
JECEE, IS	Síndrome HHH
SLC25A15	(hiperornitinemia-
520257125	hiperamonemia- homocitrulinúria)
	Acondrogênese tipo 1b /
SLC26A2	Atelosteogênese tipo 2 /
	Displasia diastrófica
SLC26A4	Surdez hereditária; síndrome de
	Pendred
SLC35A3	Artrogripose com deficiência intelectual e convulsões
	Doença de armazenamento de
SLC37A4	glicogênio; defeito congênito de
C1 C2C : :	glicosilação
SLC39A4	Acrodermatite enteropática
SLC4A11	Distrofia de córnea Síndrome de deficiência de
SLC6A8	creatina cerebral
CAAN1	Atrofia muscular espinhal
SMN1	(apenas no teste expandido)
SMN2	Atrofia muscular espinhal
	(apenas no teste expandido)
SMPD1	Doença de Niemann-Pick Síndrome associada à regressão
ST3GAL5	do desenvolvimento
STAR	Síndrome Star
STS	Ictiose ligada ao X
SUMF1	Deficiência múltipla das
	sulfatases
TAT	Tirosinemia
TCIRG1	Osteopetrose
TECPR2	Neuropatia hereditária sensitiva e autonômica com atraso do
	desenvolvimento
TFR2	Hemocromatose
TGM1	Ictiose congênita
TH	Síndrome de Segawa
TMEM216	Síndrome de Joubert / Síndrome de Meckel
	Lipofuscinose ceroide neurona;
TPP1	ataxia espinocerebelar
TREX1	Síndrome de Aicardi-Goutières
TRIM37	Nanismo de Mulibrey
TSEN2	Hipoplasia pontocerebelar
TSEN34	Hipoplasia pontocerebelar
TSEN54	Hipoplasia pontocerebelar
TTC8	Síndrome de Bardet-Biedl / Retinite pigmentosa
	Distrofia muscular / Miopatia
TTN	de Salih
	Deficiência familiar de vitamina
TTPA	E; ataxia com deficiência de
/ IDD1	vitamina E
UBR1	Síndrome de Johanson-Blizzard
UGT1A1	Síndrome de Crigler-Najjar; hiperbilirrubinemia familiar
	transitória neonatal
IICU1C	Surdez hereditária / Síndrome
USH1C	de Usher
USH2A	Síndrome de Usher
VPS13A	Coreia-acantocitose
VPS53	Hipoplasia pontocerebelar
VRK1	Hipoplasia pontocerebelar
XPA	Xeroderma pigmentoso
XPC	Xeroderma pigmentoso
ZFYVE26	Paraplegia espástica

Vale ponderar que a tabela não a avaliação com Geneticista



200 EXAMES GENÉTICOS

nas áreas de Oncologia, Cardiologia, Neurologia, Pré e Neonatal, Hematologia, Genética Médica. Endocrinologia e Psiquiatria

Maioria dos exames coletados por sangue, saliva e swab



EQUIPE DA GENÉTICA **MULTIDISCIPLINAR E COM SUPORTE AO** MÉDICO E PACIENTE **EM ÂMBITO NACIONAL**



São

Paulo

Dra. Adriana Buhrer Geneticista com residência em Genética Médica na Unicamp e MBA em Gestão de Planos de Saúde.

Dra. Caroline Olivati Geneticista com graduação pela PUC -Sorocaba e residência em genética pela FMUSP.



ASSESSORIA MÉDICA

Para análise dos pedidos médicos e discussão de casos.

Para médicos, oferecemos suporte

PRÉ E PÓS-EXAME:

CONSULTORIA TÉCNICA

Em relação à codificação TUSS e obrigatoriedade do ROL e DUT.

ATENDIMENTO EM TODO O PAÍS

Com unidades próprias, atendimento móvel e Kit de coleta enviado para a casa do paciente. Dra. Daniele Paixão



Dr. Gustavo Spolador Geneticista com graduação pela PUC -Sorocaba e residência em genética pela FMUSP.





Dr. Wagner Baratela Geneticista com residência em genética médica pela FMRP-USP e doutorado em genética médica pela USP.

Rio Grand do Norte



Dra. Larissa Bueno Oncogeneticista. com residência em genética médica pela UNIFESP e médica titular da clínica Cehon e Hospital Alianca na BA.



Dra. Christine Chung Geneticista e especialista em genética médica pelo Children's Hospital of Philadelphia (CHOP).

Paraná

COBERTURA NOS PRINCIPAIS convênios nacionais:

Para realizar exame de Genômica via convênio, o paciente deve entrar em contato com o Núcleo de Atendimento. Importante ter em mãos os documentos necessários:

- ✓ Pedido médico
- ✓ Relatório médico
- ✓ Laudo de exames anteriores (se houver)
- ✓ Documentos com CPF
- ✓ Foto da carteirinha do convênio

Núcleo de Atendimento:

4 3003.5001 e **(3** (11) 9 6332.6938

Para saber mais, acesse: www.fleurygenomica.com.br





Rio de

e Espírito

Dra. Anneliese Barth Geneticista do Mulher, da Criança e do Adolescente.

Grande

do Sul

Instituto Nacional de Saúde da com doutorado pelo IFF/ Fiocruz.



Geneticista com doutorado em Oncologia pelo AC Camargo e pós-doutorado em Oncologia pela Harvard.

Dr. Israel Gomv





Condições especiais para a realização de exames genéticos.

Aproxime a câmera do seu celular no QR code e saiba mais









EXPERIÊNCIA onco*type* DX°

A cada edicão, especialistas referência compartilham suas experiências em casos clínicos nos quais o teste os auxiliou na escolha do melhor tratamento





quimioterapia adjuvante no câncer de mama está associada à redução do risco de recorrência e melhora da sobrevida. Os benefícios absolutos em pacientes com baixo risco de recorrência podem ser pequenos, porém a identificação desse subgrupo de pacientes por meio de testes genômicos tem ganhado importância como estratégia de individualização do tratamento.

Recentemente o teste foi validado para avaliação de benefício da quimioterapia em pacientes na pós-menopausa com tumor receptor hormonal positivo com até dois linfonodos positivos.

O Oncotype DX® é um teste que avalia o perfil molecular tumoral pela análise de 21 genes por RT-PCR, possibilitando estimar o risco de recorrência e predizer o benefício da quimioterapia adjuvante em pacientes com câncer de mama linfonodo negativo receptor hormonal positivo e HER2 negativo. Recentemente, conforme dados do RxPONDER Trial, esse teste foi também validado para avaliação de benefício da quimioterapia em pacientes na pósmenopausa com tumor receptor hormonal positivo com até dois linfonodos positivos.

Nesse contexto, apresentamos o caso de uma paciente de 69 anos com queixa de nódulo palpável na mama direita. Ela referia histórico familiar de tia materna com câncer de mama aos 48 anos. Durante o exame físico, foi observado nódulo em quadrante inferolateral de mama direita de 2 cm, sem linfonodomegalia axilar.

Ultrassonografia de mama, mamografia e ressonância de mama evidenciaram nódulo irregular no quadrante inferolateral da mama direita, espiculado, de 2 cm e outro em quadrante superomedial da mama esquerda, margens não circunscritas, medindo 1 cm. Exames de imagem mostraram ausência de linfonodomegalia axilar.

A paciente foi submetida à biópsia por agulha grossa dos nódulos em mama. O exame anatomopatológico evidenciou carcinoma invasivo de tipo não especial grau 1 em quadrante inferolateral de mama direita e carcinoma invasivo de tipo não especial grau 2 em quadrante superomedial de mama esquerda. As análises de imuno-histoguímica em ambas as lesões exibiram positividade forte para receptores hormonais (91% a 100%), ausência de superexpressão de HER2 (HER2 0) e índice de proliferação Ki67 de 5%.

Os exames de estadiamento não identificaram metástase à distância. O painel genético para câncer de mama hereditário não exibiu variantes patogênicas.

Na sequência, a paciente foi submetida a quadrantectomia bilateral e biópsia de linfonodo sentinela bilateral. O exame anatomopatológico das peças cirúrgicas evidenciou: (A) quadrante inferolateral de mama direita - carcinoma invasivo de tipo não especial em 2,0 cm, grau 2 histológico, com embolização vascular presente, e carcinoma *in situ* associado, margens livres, 1 linfonodo acometido de 4 avaliados; (B) quadrante superomedial de mama esquerda - carcinoma invasivo de tipo não especial, grau 2 histológico, 15 mm, sem

embolização vascular ou invasão perineural, margens livres e linfonodos livres.

A avaliação da imuno-histoguímica foi divergente daquela inicial, demostrando positividade para receptores de proliferação estrogênio e progesterona (91% a 100%), ausência de superexpressão de HER2 e índice de proliferação Ki67 de 30% em carcinoma localizado no quadrante inferolateral de mama direita, enquanto aquele localizado em quadrante superomedial da mama esquerda apresentava positividade para receptores hormonais (91-100%), HER2 duvidoso (escore 2+) com FISH negativo e índice de proliferação Ki67 de 20%.

Figura 1. Resultado Oncotype Dx® - Linfonodo negativo



Risco de recorrência a distância em 9 anos Com IA ou TAM isolado 3% TAILORx

(QT) para o grupo RS 31-100 <1% IC 95% (-6%, 3%) NSABP B-20

Figura 2. Resultado Oncotype DX® - Linfonodo positivo



Risco de recorrência a distância em 9 anos Com IA ou TAM isolado **15%** IC 95% (10%, 19%) TransATAC

Média absoluta do (QT) para o grupo RS 0=17 beneficos aparentes SWOG 8814

Trata-se, portanto, de uma paciente com câncer de mama bilateral, à direita pT1c pN1a M0 luminal B e à esquerda pT1c pN0 M0 luminal B. Foi solicitado o Oncotype DX® que evidenciou Recurrence Score (RS) de 8 na lesão da mama esquerda (figura 1) e RS de 16 na lesão da mama direita (figura 2) - ambos sem benefício de quimioterapia. A paciente seguiu realizando radioterapia adjuvante e hormonioterapia com inibidor de aromatase.

O Oncotype DX® foi utilizado para auxiliar na conduta do tratamento adjuvante, poupando a paciente da quimioterapia e dos efeitos colaterais associados.

1. Sparano JA et al. Prospective Validation of a 21-Gene Expression Assay in Breast Cancer. N Engl J Med. 2015 Nov 19;373(21):2005-14. doi: 10.1056/NEIMoa1510764, Epub 2015 Sep 27

2. Kalinsky K et al. 21-Gene Assay to Inform Chemotherapy Benefit in Node-Positive Breast Cancer. N Engl J Med. 2021 Dec 16;385(25): 2336-2347. doi: 10.1056/NEJMoa2108873. Epub 2021 Dec 1.





É um teste que revela a biologia individual do tumor com base na medição da expressão da atividade de 21 genes por RT-PCR. Realizado em tecido tumoral fixado em formol e embebido em parafina, ajuda a identificar as pacientes que obterão o benefício da quimioterapia.

COMO Solicitar O ONCOTYPE DX®?

- ✓ Pedido médico
- ✓ Laudo dos exames anatomopatológico e imuno-histoquímica
- ✔ Preenchimento do questionário com dados do médico solicitante e da coleta da amostra
- ✓ Solicitação de liberação de bloco junto à patologia para paciente (solicitado pelo médico responsável)



Equipe de especialistas disponível para auxiliar na conduta clínica. discussão de laudos ou de dúvidas sobre o teste.

O ESTUDO TAILORX ESTABELECE O TESTE ONCOTYPE DX® COMO O PADRÃO DEFINITIVO DE TRATAMENTO



Onde o TESTE ONCOTYPE DX® pode ser retirado/entregue?

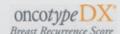
A retirada do material é realizada por meio da coleta domiciliar ou pode ser entregue nas unidades do Grupo Fleury.

*Consulte as regiões/cidades cobertas em nosso site ou por meio da Central de Atendimento.

A melhor **DECISÃO**

Com o teste oncotype DX° Breast Recurrence Score

é possível predizer com segurança o benefício da quimioterapia



PARA SUAS

CÂNCER DE MAMA

INICIAL, RH+, HER2-,

INVASIVO EM ESTÁGIO

LINFONODO NEGATIVO



Oncotype DX e DCIS Score são marcas comerciais ou marcas registradas da Exact Sciences. © 2017 Exact Sciences. Todos os direitos reservados. GHI10051_0517_PT_BR No Brasil, o teste Oncotype DX® é distribuído exclusivamente pelas marcas do Grupo Fleury

Em caso de dúvidas, solicite a visita de um de nossos representantes: luis.pires@grupofleury.com.br | (11) 99641-7763





Teste com alta sensibilidade, a imunocitoquímica para p16/Ki-67 auxilia na predição de risco de malignidade de lesões causadas pelo vírus

infecção pelo papilomavírus humano (HPV), apesar de muito prevalente em nosso meio, pode se apresentar de forma transitória, não trazendo grandes repercussões clínicas às pacientes. Entretanto, em parte dos casos, a infecção se torna persistente e é nesse contexto que nos deparamos com o surgimento de lesões de alto grau.

Entre os possíveis mecanismos de resposta à infecção viral está a resposta inflamatória, que, muitas vezes, pode acabar gerando dúvidas morfológicas para um diagnóstico mais assertivo. E surge a dúvida: o que posso fazer para melhor atender essa paciente?

É necessário termos em mente que o principal objetivo dos exames de rastreio de câncer de colo uterino é o de identificar, o mais precocemente possível, as neoplasias originadas no colo uterino e suas lesões precursoras. Em sua imensa maioria, essas lesões são relacionadas à infecção pelo HPV.

Dessa forma, torna-se fundamental verificarmos se a paciente apresenta alterações morfológicas no exame citológico, se há infecção por HPV e, caso positivo, se o processo é transformante – estando, assim, mais fortemente associado ao desenvolvimento de lesões de alto grau.

Consultoria médica:



Dr. Aloísio Souza F. da Silva Consultor Médico em Anatomia Patológica aloisio.silva@grupofleury.com.br



Dra. Carolina da Silva Andriotti
Consultora Médica
em Anatomia Patológica
carolina.andriotti@grupofleury.com.br



Dr. Mauro Tadeu Ajaj Saieg Consultor Médico em Anatomia Patológica mauro.tsaieg@grupofleury.com.br



Dra. Mônica Stiepcich
Consultora Médica
em Anatomia Patológica
monicas@grupofleury.com.br

Dra. Carolina Franzoni Pratti



Consultora Médica em Colposcopia carolina.pratti@grupofleury.com.br



Dra. Márcia Emy Tubaki Consultora Médica em Colposcopia marcia.tubaki@grupofleury.com.br

PARA ILUSTRAR ESSE CONTEXTO, CONFIRA UM CASO CLÍNICO:

externo (figura 1).

Paciente do sexo feminino, 28 anos, com exames de rastreio com os sequintes achados:

- Pesquisa de HPV de alto risco oncogênico positiva pelo método de reação em cadeia de polimerase (PCR).
- À colposcopia, área de epitélio plano acetobranco tênue entre
 4 e 8 horas, com captação de lugol negativa, junto ao orifício
- À biópsia, cervicite crônica com reepitelização, metaplasia escamosa imatura do epitélio colunar e exocitose, com alterações citoarquiteturais compatíveis com infecção pelo HPV (*figura 2*).

Esses resultados não permitem saber se a infecção pelo HPV é transitória – e, portanto, sem repercussões clínicas à paciente – ou persistente, com maior risco de desenvolvimento de lesão de alto grau. Por isso, foi sugerido ao médico-assistente a realização da pesquisa imunocitoquímica em material de citologia em meio líquido para a coexpressão de p16 e Ki-67 (teste CINtec® Plus).

A dupla marcação imunocitoquímica de p16 e Ki-67 vem sendo proposta como um teste de elevada sensibilidade para predizer o risco de desenvolvimento de lesão de alto grau em mulheres com DNA de HPV de alto risco.

A coexpressão de p16 e Ki-67 na mesma célula em imunocitoquímica indica fortemente a presença de infecção transformante e está associada a risco maior de lesões de alto grau induzidas por HPV. No caso citado como exemplo, o exame detectou a coexpressão da p16 e do Ki-67 (figura 3), possibilitando que fosse dado à paciente o seguimento adequado.

Indicações da pesquisa molecular do HPV e da imunocitoquímica para p16/Ki-67 (teste CINtec[®] Plus)

Pesquisa molecular do HPV*

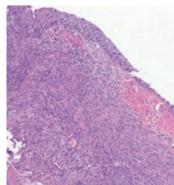
- → Estratificação de risco (rastreamento primário) para lesões pré-neoplásicas ou neoplásicas, com ou sem citopatologia, em mulheres com idade ≥30 anos
- → Seguimento pós-tratamento de lesões de alto grau
- → Diferenciação de processos reativos não induzidos pelo HPV em citologias com células escamosas atípicas de significado indeterminado (ASC-US)

Teste CINtec® Plus

- → Mulheres de 30 a 65 anos com citologia com resultado negativo e teste de HPV de alto risco positivo**
- → Mulheres de 25 a 65 anos com citologia com ASC-US ou lesão intraepitelial escamosa de baixo grau e teste de HPV de alto risco positivo**



Figura 1



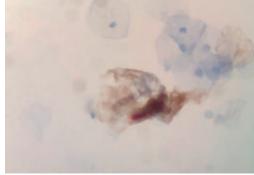
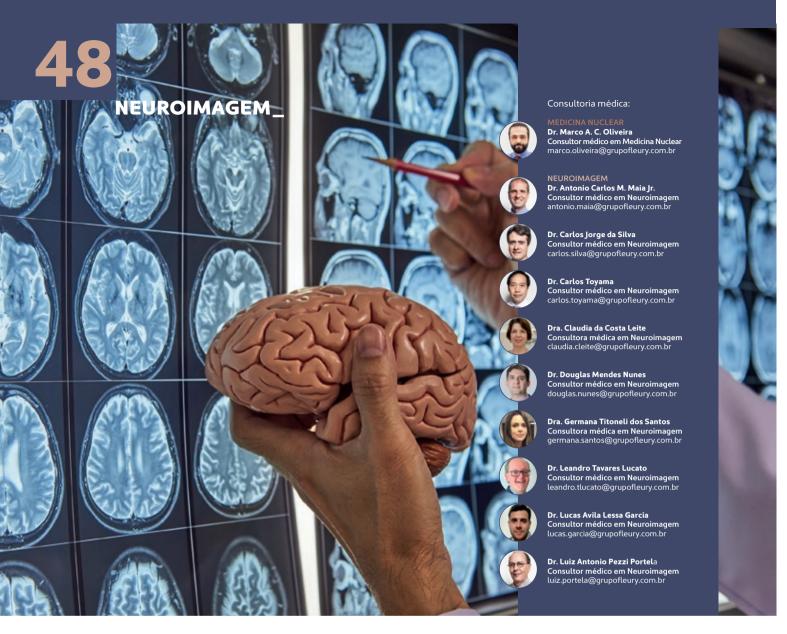


Figura 2 - HE - 20X Figura 3

^{*}O teste utilizado no Grupo Fleury (Cobas® 4800 Human papillomavirus, Roche) detecta, de modo qualitativo, 14 tipos de HPV de alto risco oncogênico (16, 18, 31, 33, 35, 39, 45, 51, 52, 56, 58, 59, 66 e 68), além de informar individualmente a presença do 16 e/ou do 18.

^{**}Na presença de positividade para HPV 16 e/ou 18, a paciente poderá ser encaminhada diretamente para a colposcopia.



Perda de memória e desorientação em PACIENTE IDOSA

Diagnóstico exige uma abordagem multidisciplinar e deve ser feito de forma criteriosa para descartar enfermidades tratáveis

O CASO

ulher de 79 anos queixava-se de déficit progressivo de memória, iniciado três anos antes, que atribuía ao falecimento de um amigo. Ainda que realizasse as atividades básicas de cuidados pessoais, seus familiares relatavam que ela pouco comparecia a eventos sociais, perdia-se com frequência na rua e não administrava mais suas finanças nem sua medicação. O exame físico flagrou repetições constantes em seu discurso, mas não detectou alterações de comportamento. A paciente ainda compreendia o que lhe era dito sem dificuldade, embora se mostrasse apática.

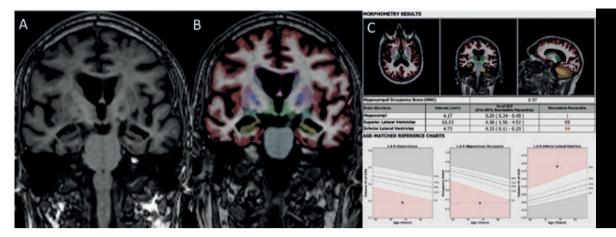


Figura 1. Imagens da sequência T1 SPGR-3D de RM com reformatações no plano coronal (A e B), com segmentação automatizada (B). Note a redução volumétrica encefálica, com sinais de atrofia seletiva das estruturas temporais mediais, incluindo os giros para-hipocampais, com aumento da amplitude dos cornos temporais dos ventrículos laterais e das fissuras coróideas, bem como redução da altura dos hipocampos (escore de MTA = 3). A tabela morfométrica (C) permite a demonstração quantitativa da atrofia seletiva das estruturas temporais mediais e a comparação gráfica com indivíduos normais do mesmo sexo e faixa etária.

Para a investigação do quadro, o clínico optou por uma avaliação neuropsicológica, que revelou uma síndrome amnéstica grave, do tipo anterógrada, sem quadro demencial estabelecido. A ressonância magnética (RM) do encéfalo demonstrou redução volumétrica encefálica com envolvimento das estruturas temporais mediais (MTA = 3), confirmado pelo estudo volumétrico (Neuroquant®) (figura 1). Um estudo complementar com tomografia por emissão de pósitrons (PET-CT) com fluordesoxiglicose (FDG) demonstrou hipometabolismo bilateral e simétrico dos pré-cúneos e dos giros dos cíngulos posteriormente, assim como dos lobos temporais e parietais, poupando as regiões sensitivo-motoras primárias e os lobos occipitais (figura 2).

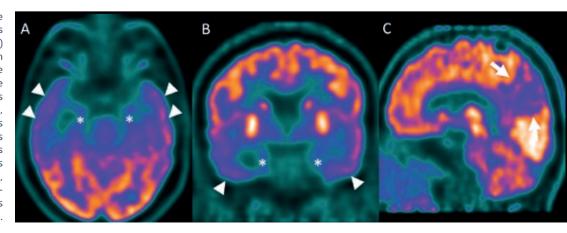
A DISCUSSÃO

Existem diversas causas de demência, que vão desde quadros progressivos, em que o sintoma compõe a principal manifestação de uma entidade clínica específica, como na doença de Alzheimer (DA), até parte de um quadro neurológico estático, como nas sequelas de lesões corticais por encefalite.

O diagnóstico, portanto, exige uma abordagem multidisciplinar e deve ser feito de forma criteriosa para descartar enfermidades tratáveis.

O diagnóstico da DA baseia-se em probabilidade, pois não existem marcadores biológicos *in vivo* específicos para a doença. Assim, considera-se a condição provável

Figura 2. Imagens de PET-CT reformatadas nos planos axial (A), coronal (B) e sagital (C) demonstram hipometabolismo bilateral e simétrico dos pré-cúneos e do segmento posterior dos giros dos cíngulos (setas), assim como das regiões mediais (asteriscos) e, menos proeminentemente, das regiões laterais dos lobos temporais (pontas de setas), poupando as regiões sensitivomotoras primárias e os lobos occipitais.



quando, excluídas outras hipóteses, especialmente a doença cerebrovascular, critérios clínicos e cognitivos são satisfeitos e reforçados pelos seguintes aspectos:

- Evidência de declínio cognitivo progressivo documentado em avaliações subsequentes, com base nos testes rápidos do status mental ou neuropsicológico formal e em dados de informantes.
- Presença de um ou mais dos seguintes marcadores:
- Ab42 diminuída ou tau ou fosfo-tau elevadas no liquor;
- Proteína amiloide positiva;
- Redução da captação de FDG no giro do cíngulo posterior e pré-cúneos e no córtex temporoparietal no exame de PET/CT cerebral:
- Atrofia desproporcional das estruturas mediais temporais, principalmente o hipocampo, do lobo temporal, basal e lateral e do córtex parietal medial na RM convencional.
- Mutação genética autossômica dominante para DA comprovada (PSEN1, PSEN2, APP)

Os estudos morfológicos de RM demonstraram a atrofia desproporcional das estruturas mediais temporais, envolvendo o córtex entorrinal, os giros para-hipocampais e os hipocampos, cujo volume encontrava-se abaixo do percentil normativo de 1 para a faixa etária e gênero. Esse achado constitui a pedra angular do diagnóstico presuntivo por imagem da DA, evidentemente dentro de contexto clínico e laboratorial apropriado.

Diversas técnicas de medida volumétrica de estruturas temporais mediais (amígdala, hipocampo e giro para-hipocampal) têm sido utilizadas, na última década, com potencial aplicação clínica na investigação de doenças neuropsiquiátricas. Recentes avanços tecnológicos tornaram possível o desenvolvimento de softwares de análise morfométrica automáticos, como o Neuroquant®, que minimiza os problemas referentes à reprodutibilidade do método. Ademais, o uso desse sistema permite a comparação dos valores obtidos no paciente com valores normais de uma base de dados corrigidos por sexo, idade e tamanho da cabeça.

Em relação à RM, vale ressaltar que o método reconhecidamente conseque demonstrar alterações nas fases em que já se observam manifestações clínicas que permitem o diagnóstico de DA.

Não há consenso, entretanto, sobre seu papel na detecção de pacientes na fase pré-clínica da doença ou mesmo daqueles indivíduos com comprometimento cognitivo leve, que carregam maior risco de evoluir para essa demência.



Existem diversas causas de demência. que vão desde quadros progressivos, em que o sintoma compõe a principal manifestação de uma entidade clínica específica, como na doença de Alzheimer (DA), até parte de um quadro neurológico estático, como nas sequelas de lesões corticais por encefalite.

Exames funcionais como o PET-CT podem contribuir em tais casos, na demonstração de alterações funcionais mais precoces, que eventualmente antecedam o comprometimento evidente nos estudos de neuroimagem estrutural, tendo fundamental aplicação nos casos em que as alterações na RM se mostram inespecíficas.

O padrão observado na paciente do estudo é aquele usualmente observado na DA, o que pode favorecer o diagnóstico presuntivo da doença no contexto clínico apropriado.

Historicamente associada à saúde do homem, mortes causadas por doença cardiovascular são a principal causa de óbito entre as mulheres. Esse problema já atinge um terço de todas as mortes de mulheres no mundo, conforme estudo realizado pela Organização Mundial da Saúde. Isso corresponde a 8,5 milhões de mortes por ano e mais de 23 mil por dia.

Para alertar a população feminina sobre esse problema, o Grupo Fleury e o Grupo Sabin assumiram o compromisso de unir forças para lançar essa causa de saúde pública com um movimento social que busca conscientizar sobre prevenção e adoção de hábitos saudáveis para reduzir problemas cardíacos e mortalidade entre as mulheres. A iniciativa tem o apoio da Sociedade de Cardiologia do Estado de São Paulo (Socesp) e da Associação de Obstetrícia e Ginecologia do Estado de São Paulo (Sogesp), com o lançamento de um site e perfis nas redes sociais do movimento:



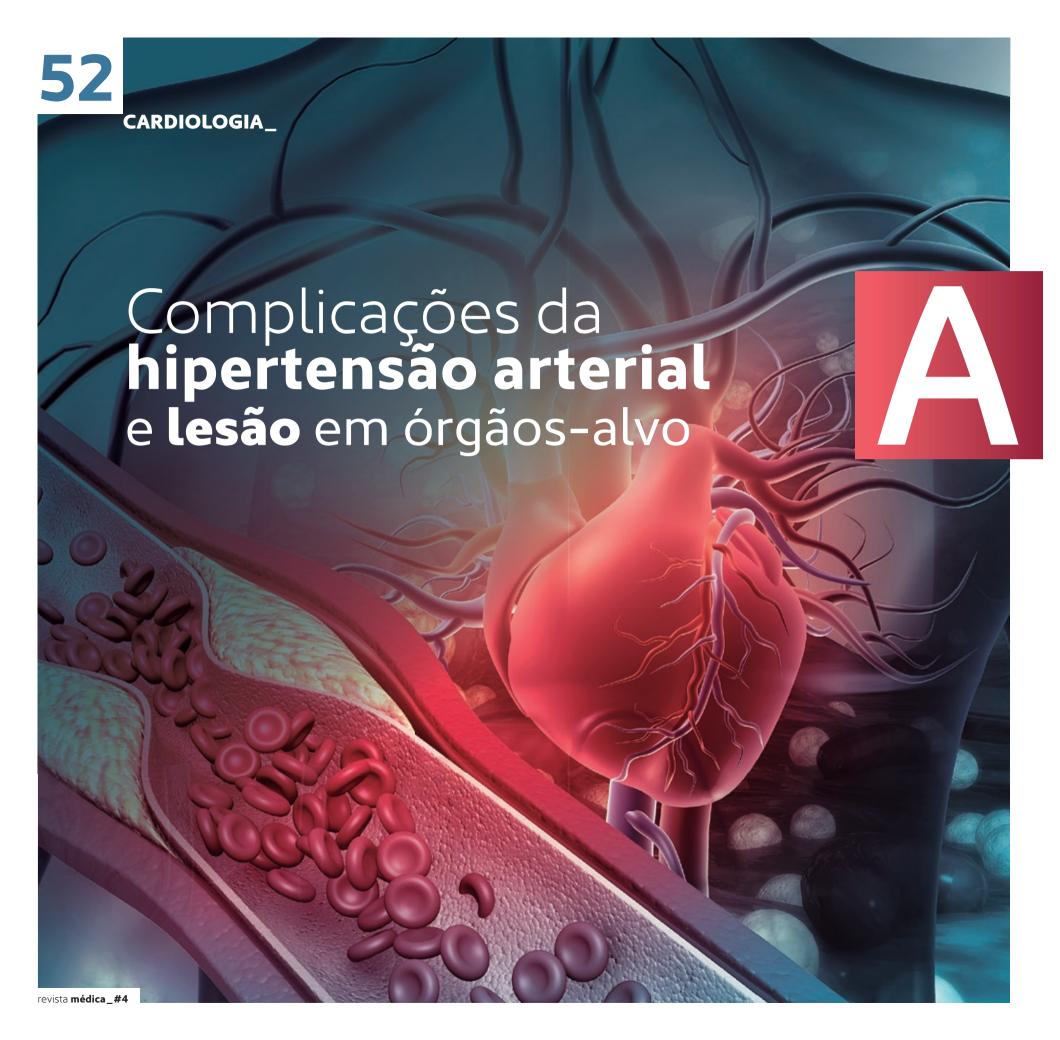




CORAÇÃ9 DA MULHER

Cuidado a cada batimento.





Valores elevados de PA têm sido tradicionalmente associados ao risco para cardiopatia isquêmica, acidente vascular encefálico (AVE), doença renal crônica (DRC) e mortalidade precoce

hipertensão arterial (HA) é uma doença crônica não transmissível definida por níveis pressóricos acima dos considerados normais. Já é conhecido que os benefícios do tratamento (não medicamentoso e/ ou medicamentoso) superam os riscos do tratamento medicamentoso. Trata-se de uma doença multifatorial, que depende de fatores genéticos/ epigenéticos, ambientais e sociais, caracterizada por elevação persistente da pressão arterial (PA), ou seja, PA sistólica (PAS) maior ou igual a 140 mmHg e/ou PA diastólica (PAD) maior ou igual a 90 mmHg, medida com a técnica correta, em pelo menos duas ocasiões diferentes, na ausência de medicação anti-hipertensiva.

É aconselhável, quando possível, a validação de tais medidas pela avaliação da PA fora do consultório por meio da monitorização ambulatorial da pressão arterial (MAPA) ou da monitorização residencial da pressão arterial (MRPA).

Segundo a Pesquisa Nacional de Saúde de 2013, 21,4% dos adultos brasileiros autorrelataram HA, enquanto, considerando as medidas de PA aferidas e uso de medicação anti-hipertensiva, o percentual de adultos com PA maior ou igual a 140 por 90 mmHg chegou a 32,3%. Detectou-se que a prevalência de HA foi maior nos homens, além de, como esperado, aumentar com a idade por todos os critérios, chegando a 71,7% para os indivíduos acima de 70 anos. No período de uma década (2008 a 2017), foram estimadas 667.184 mortes atribuíveis à HA no Brasil.

A HA é uma condição habitualmente assintomática. Por isso, deve ser avaliada em todo atendimento médico e em programas estruturados de triagem populacional. Nestes últimos, mais de 50% dos portadores de HA não sabiam que tinham a doença. As medidas da PA devem ser realizadas em intervalos regulares. Pessoas saudáveis com uma PA ótima no consultório devem ter a PA medida novamente pelo menos anualmente e nas consultas médicas. Pacientes com pré-hipertensão (130-139/85-89 mmHg) devem ter a PA medida anualmente ou, preferencialmente, antes, devido às altas taxas de progressão para HA.



Importante certificar-se que o paciente não esteja com a bexiga cheia; não tenha praticado exercícios físicos há, pelo menos, 60 minutos e não tenha ingerido bebidas alcoólicas.

MEDIÇÃO ADEQUADA DA PRESSÃO ARTERIAL:

O indivíduo deve sentar-se confortavelmente em um ambiente silencioso por 5 minutos, antes de iniciar as medições da PA. A seguir, explique o procedimento e oriente-o a não conversar durante a medição. Possíveis dúvidas devem ser esclarecidas antes ou depois da medição. Deve-se também certificar que o paciente não esteja com a bexiga cheia; não tenha praticado exercícios físicos há, pelo menos, 60 minutos; não tenha ingerido bebidas alcoólicas, café ou alimentos pesados; e não tenha fumado nos 30 minutos anteriores. Muito importante, também, é o uso do manguito adequado para a circunferência do braço.

Os principais fatores de risco para HA são os genéticos, o envelhecimento e o gênero. Em faixas etárias mais jovens, a PA é mais elevada nos homens, mas a elevação pressórica por década se apresenta maior nas mulheres. Outros fatores associados são sobrepeso e obesidade, ingesta aumentada de sódio e de bebidas alcoólicas, sedentarismo e apneia obstrutiva do sono.

Valores elevados de PA elevados têm sido tradicionalmente associados ao risco para cardiopatia isquêmica, acidente vascular encefálico (AVE), doença renal crônica (DRC) e mortalidade precoce.



A estimativa de risco no paciente hipertenso deve ser complementada pela identificação da presença de lesão de órgãos-alvo, que são

frequentes, muitas vezes subdiagnosticadas, não estando geralmente incluídas nos escores de estratificação de risco.

Por se tratar de condição frequentemente assintomática, a HA costuma evoluir com alterações estruturais e/ou funcionais em órgãos-alvo, como coração, cérebro, rins e vasos. Ela é o principal fator de risco modificável com associação independente, linear e contínua para doenças cardiovasculares (DCV),DRC e morte prematura. Associa-se a fatores de risco metabólicos para as doenças dos sistemas cardiocirculatório e renal, como dislipidemia, obesidade abdominal, intolerância à glicose, e diabetes melito.

Além disso, apresenta impacto significativo nos custos médicos e socioeconômicos, decorrentes das complicações fatais e não fatais nos órgãos--alvo decorrentes de alterações funcionais e/ou estruturais, como:



Coração: doença arterial coronária (DAC), insuficiência cardíaca (IC), fibrilação atrial (FA) e morte súbita:



Cérebro: AVE, isquêmico (AVEI) ou hemorrágico (AVEH), demência;



Rins: DRC que pode evoluir para necessidade de terapia dialítica;



Vasos sanguíneos: doença arterial obstrutiva periférica (DAOP) e alterações metabólicas, com consequente aumento do risco de eventos cardiovasculares fatais e não fatais. A vasodilatação é prejudicada, o que leva ao aumento da resistência vascular periférica e à alteração da permeabilidade endotelial



Retina: retinopatia hipertensiva.

A avaliação do dano vascular presente na HA tem sido cada vez mais incorporada na prática clínica. Tais danos envolvem alterações da microvasculatura, aterosclerose, aumento da rigidez arterial e disfunção endotelial. No que diz respeito à rigidez arterial, esta provavelmente tem um componente genético, mas também há dois outros importantes determinantes: a idade e os níveis da PA.

A avaliação complementar tem como objetivo detectar lesões clínicas ou subclínicas em órgãos-alvo, no sentido de melhor estratificar o risco cardiovascular.

A avaliação laboratorial básica deve fazer parte da rotina inicial de todo paciente hipertenso. Recomenda-se a dosagem sérica de potássio, ácido úrico, creatinina, glicemia e perfil lipídico; e realização de um exame sumário de urina e de eletrocardiograma, para possível detecção de hipertrofia ventricular esquerda (HVE). Para a avaliação da função renal, deve-se obter o ritmo de filtração glomerular estimado (RFG-e). Se possível o laboratório deve disponibilizar o resultado do exame de dosagem de creatinina acompanhado do resultado do RFG-e. Também é recomendado que se investigue a proteinúria/albuminúria utilizando-se pela ordem de

importância: razão albuminúria/creatininúria (RAC). razão proteinúria/creatininúria: urinálise por fita de proteinúria total com leitura automática e urinálise por fita de proteinúria total com leitura manual.

Como mensagens principais, expomos que a anamnese e o exame físico devem ser completos buscando sempre a medida correta da PA, a análise dos parâmetros antropométricos e a detecção de sintomas e sinais de comprometimento em órgãos-alvo e de indícios de causas secundárias de hipertensão. No paciente hipertenso, é importante a pesquisa de comorbidades (diabetes melito, dislipidemias e doenças renais e da tireoide, entre outras), para melhor tratamento e estratificação do risco cardiovascular. Os exames complementares de rotina preconizados nessas diretrizes são básicos, de fácil disponibilidade e interpretação, baixo custo e obrigatórios para todos os pacientes, pelo menos na primeira consulta e anualmente. Outros exames podem ser necessários para as populações indicadas. É fundamental pesquisar lesões em órgãos-alvo, tanto clínicas quanto subclínicas, para orientação terapêutica mais completa.

A estimativa de risco no paciente hipertenso deve ser complementada pela identificação da presença de lesão de órgãos-alvo, que são frequentes, muitas vezes subdiagnosticadas, não estando geralmente incluídas nos escores de estratificação de risco. Elas causam aumento adicional do risco cardiovascular, notadamente quando várias coexistem no mesmo indivíduo.

Na avaliação diagnóstica complementar, destacam--se as alterações da glicemia ou da hemoglobina glicada, a obesidade abdominal (síndrome metabólica), a pressão de pulso superior a 65 mmHg em idosos, a história de pré-eclâmpsia/eclâmpsia e a história familiar de HA (em hipertensos limítrofes).

A alteração da velocidade de onda de pulso (VOP), quando disponível, é um exame que denota LOA, podendo reclassificar os pacientes de risco cardiovascular intermediário para risco elevado.





A avaliação laboratorial básica deve fazer parte da rotina inicial de todo paciente hipertenso.

São recomendadas dosagem sérica de potássio, ácido úrico, creatinina, glicemia e perfil lipídico e realização de um exame sumário de urina e de eletrocardiograma, para possível detecção de hipertrofia ventricular esquerda (HVE).

Outros exames são recomendados a algumas populações de pacientes hipertensos de maior risco e com suspeita de lesão de órgão-alvo:

Radiografia de tórax: tem indicação no acompanhamento do paciente hipertenso nas situações de suspeita clínica de acometimento cardíaco e/ou pulmonar ou para a avaliação de hipertensos com acometimento de aorta em que o ecocardiograma não está disponível.

Ecocardiograma: é mais sensível que o eletrocardiograma quanto ao diagnóstico de HVE e agrega valores na avaliação de formas geométricas de hipertrofia e tamanho do átrio esquerdo, nas funções sistólica e diastólica. Está indicado quando houver indícios de HVE no eletrocardiograma ou em pacientes com suspeita clínica de insuficiência cardíaca.

Albuminúria ou relação proteinúria/creatininúria ou albuminúria/creatininúria: exame útil para os hipertensos diabéticos, com síndrome metabólica ou com dois ou mais fatores de risco, pois mostrou prever eventos cardiovasculares fatais e não fatais (valores normais < 30 mg/g de creatinina).

Ultrassonografia de carótidas: indicado na presença de sopro carotídeo, sinais de doença cerebrovascular ou presença de doença aterosclerótica em outros territórios. O aumento na espessura íntima-média (EIM) das carótidas e/ou a identificação de placas de aterosclerose prediz a ocorrência de acidente vascular cerebral e infarto do miocárdio, independentemente de outros fatores de risco cardiovasculares. Valores da EIM > 0,9 mm têm sido considerados como anormais, assim como o encontro de placas ateroscleróticas.

Ultrassonografia renal ou com Doppler: necessária em pacientes com massas abdominais ou sopro abdominal.

Hemoglobina glicada (HbA1c): indicada quando a glicemia de jejum for maior que 99 mg/dL, na presença de história familiar ou de diagnóstico prévio de diabetes melito do tipo 2 e obesidade.

Teste ergométrico: está indicado na suspeita de doença coronária estável, diabetes melito ou antecedente familiar para doença coronariana em pacientes com pressão arterial controlada.

Medida da velocidade da onda de pulso (VOP), quando disponível: indicada em hipertensos de baixo e médio risco, sendo considerado um método útil para avaliação da rigidez arterial, ou seja, do dano vascular.

Ressonância magnética (RM) do cérebro: indicada em pacientes com distúrbios cognitivos e demência para detectar infartos silenciosos e micro-hemorragia.

MAPA/MRPA: com ampla indicação para diagnóstico inicial, controle e avaliação da eficácia terapêutica.

mpla	
stico	
ação	

Quadro 1 Investigação clínico-complementar de acordo com as lesões de órgãos-alvo das emergências hipertensivas

Principais lesões nas EH	Sintomas	Exame físico	Investigação complementar a critério clínico
	 Dor ou desconforto no tórax, abdome ou dorso; 	 FC, ritmo, alteração de pulso, galope, 	• ECG, saturação de O², radiografia de tórax,
	 Dispneia; fadiga; tosse. 	estase jugular, congestão pulmonar, abdominal	marcadores de necrose miocárdica, BNP,
CARDIOVASCULARES		e periférica;	desidrogenase láctica;
		 Sopros cardíacos e vasculares; 	Ecocardiograma
		 Palpação de pulso nos quatro membros. 	• Angiotomografia, TC de tórax e RNM de tórax.
	• Tontura;	 Nível de consciência ou coma; agitação, 	• TC de crânio; RNM crânio.
NEUROLÓGICAS	• Cefaleia;	delírio ou confusão; convulsão; déficits focais;	
	 Visão, audição ou fala alterada. 	rigidez de nuca.	
	 Alteração no volume e na frequência miccional. 	• Edema ou desidratação;	 Urina 1; creatinina, ureia; sódio; potássio;
RENAIS		 Alterações no aspecto da urina (hematúria); 	cloro; gasometria.
		• Massas e sopros abdominais.	
		 Papiledema; hemorragias; exsudatos. 	
FUNDO DE OLHO		• Alterações nos vasos como espasmos, cruzamentos arteriovenosos patológicos, espessamento	
		na parede arterial e aspectos em fio de prata ou cobre.	
EXAMES COMPLEMENTARES MÍNIMOS	• ECG, radiografia de tórax, marcadores de necrose miocárdica,	hemograma com plaquetas, creatinina, urina I e potássio.	

58 CARDIOI OGIA



São considerados hipertensos os indivíduos com PAS ≥ 140 mmHg e/ou PAD ≥ 90 mmHg Alguns exames diagnósticos podem ser fundamentais na avaliação de lesões de órgãos-alvo, principalmente para investigação de HVE (hipertrofia ventricular esquerda):

Eletrocardiograma: Pelos índices (GR: I, NE: B) de Sokolow-Lyon (onda S em V1 + onda R em V5 ou R em V6) \geq 35 mm; onda R em aVL > 11 mm; de Cornell voltagem > 2440 mm.ms ou Cornell índice > 28 mm em homens e > 20 mm em mulheres

Ecocardiograma: IMVE (índice de massa ventricular esquerda) \geq 116 g/m² nos homens ou \geq 96 g/m² nas mulheres. (GR: IIa, NE: B)

Em caso de suspeita de lesões vasculares, renais e em retina:

Vasculares: ITB: (índice tornozelo-braquial) < 0,9. (GR: IIa, NE: B)

Doença renal crônica estágio 3: RFG-e entre 30 e 60 mL/min/1,73m²; Albuminúria entre 30 e 300 mg/24h ou (GR: I, NE: B); Relação albumina/creatinina urinária 30 a 300 mg/g (GR: I, NE: B); VOP carótido-femoral > 10 m/s (GR: IIa, NE: A)

Realizar fundoscopia ou retinografia (quando disponível) para identificar aumento do reflexo dorsal, estreitamento arteriolar, cruzamentos arteriovenosos patológicos, hemorragias, exsudatos e papiledema (sinais de retinopatia hipertensiva)

Na tabela abaixo podemos verificar as consequências precoces e tardias da elevação crônica da PA:

Doenças de apresentação precoce e tardia	Doenças de apresentação tardia
Acidente vascular encefálico	Cardiomiopatia
Doença cardíaca coronariana	 Insuficiência cardíaca com fração de ejeção preservada
• Insuficiência cardíaca	• Fibrilação atrial
Morte cardiovascular	Cardiopatia valvar
	Síndromes aórticas
	Doença arterial periférica
	Doença renal crônica
	• Demências
	Diabetes melito
	• Disfunção erétil

A avaliação inicial de um paciente com hipertensão arterial inclui a confirmação do diagnóstico, a suspeita e a identificação de causa secundária, além da avaliação do risco cardiovascular. As lesões de órgão-alvo e as doenças associadas também devem ser investigadas. Fazem parte dessa avaliação: a medida da PA no consultório e/ou fora dele, utilizando-se técnica adequada e equipamentos validados e calibrados, a obtenção de história médica (pessoal e familiar), a realização de exame físico e a investigação clínica e laboratorial. Propõem-se avaliações gerais a todos os hipertensos e avaliações complementares apenas para grupos específicos.

São considerados hipertensos os indivíduos com PAS ≥ 140 mmHg e/ou PAD ≥ 90 mmHg, indivíduos com PAS ≥ 140 mmHg e PAD < 90 mmHg são definidos como portadores de HA sistólica isolada, enquanto a presença de níveis de PAS < 140 mmHg e PAD ≥ 90 mmHg caracteriza a HA diastólica isolada. Tanto a HA sistólica isolada quanto a HA diastólica isolada apresentam maior prevalência de HA do avental branco, que é aquela que aparece apenas nos momentos em que são aferidas em ambiente médico, sendo normal quando aferida fora de consultório ou ambiente médico.

Segundo a diretriz brasileira de 2020, a PA normal em diretrizes anteriores passa a ser denominada PA ótima e a pré-hipertensão, a ser dividida em PA normal e pré-hipertensão. Os indivíduos com PAS entre 130 e 139 mmHg e PAD entre 85 e 89 mmHg passam a ser considerados pré-hipertensos, pois essa população apresenta consistentemente maior risco de DCV, DAC e AVE do que a população com níveis entre 120 e 129 mmHg ou 80 e 84 mmHg. Consequentemente, indivíduos pré-hipertensos devem ser monitorados mais de perto.



As lesões de órgãoalvo e as doenças associadas também devem ser investigadas.

Fazem parte dessa avaliação: a medida da PA no consultório e/ou fora dele, utilizandose técnica adequada e equipamentos validados e calibrados, a obtenção de história médica (pessoal e familiar), a realização de exame físico e a investigação clínica e laboratorial.



2. Atualização da Diretriz de Prevenção Cardiovascular da Sociedade Brasileira de Cardiologia – 2019. Arq Bras Cardiol. 2019; 113(4):787-891.

Consultoria médica:



Dra. Paola Emanuela P. Smanio Consultora médica em Cardiologia e Medicina Nuclear paola.smanio@grupofleury.com.br

A Sommos DNA cuida da saúde do seu paciente por completo!

Conheça o nosso novo pacote:

Sommos DNA Equilíbrio + Prevenção

Sommos DNA Prevenção Avalia 74 genes relacionados a risco de doenças cardíacas, câncer e outras doenças hereditárias.

Sommos DNA Equilíbrio Analisa mais de 100 variantes genéticas dentro dos pilares:

> Nutrição | Corpo | Sono e estresse | Pele | Resposta a medicamentos

Aproveite descontos especiais nos testes da Sommos DNA com o cupom:

SOMMOSFLEURY

Saiba mais:







(9 (11) 3003-5000

sommosdnasommosdna

Sommosdna.com.br

@ contato.sommos@sommosdna.com.br





OENCA FUNCIONAL OU MALIGNIDADE?

A avaliação do nódulo tiroidiano, um achado frequente na prática clínica, inclui dois tópicos fundamentais: o aspecto funcional (dosagens de TSH e de T4 livre) e a possibilidade de a lesão ser maligna.

Em relação à função da glândula, queixas compatíveis com tirotoxicose, a exemplo de perda de peso, taquicardia, tremor de extremidades e arritmia, podem levar à suspeita de nódulo tóxico, enquanto a presença de lesão nodular concomitante a sintomas de hipotiroidismo suscita a hipótese de tiroidite de Hashimoto. Uma alteração no resultado da dosagem de TSH pode apontar para uma ou para outra vertente.

No que concerne à natureza do nódulo, alguns dados da história clínica e do exame físico sugerem maior risco de malignidade (*veja quadro na página ao lado*).

DADOS DA HISTÓRIA CLÍNICA E DO EXAME FÍSICO QUE SUGEREM MAIOR RISCO DE MALIGNIDADE DOS NÓDULOS TIROIDIANOS:

- Idade abaixo de 20 anos ou acima de 70 anos
- Sexo masculino
- Síndromes hereditárias, como a neoplasia endócrina múltipla tipo 2 (NEM2)
- História de exposição à irradiação ionizante de cabeça ou pescoço na infância ou na adolescência
- Irradiação total para transplante de medula óssea
- Diagnóstico prévio de câncer de tiroide tratado com tiroidectomia parcial

- Parentes de primeiro grau com câncer de tiroide
- Nódulo volumoso ou com rápido crescimento, com sintomas compressivos
- Lesão endurecida, pouco móvel e aderida a planos profundos
- Paralisia de corda vocal ipsilateral à lesão
- Adenomegalia regional
- Nódulo incidentalmente detectado no FDG-PET (como captação focal)

Fonte: Rosário PW e cols. Nódulo tiroidiano e câncer diferenciado de tiroide: atualização do consenso brasileiro. Arq Bras Endocrinol Metabol 2013;57(4):240-264(1).

Após a avaliação clínica inicial, na vigência de dosagem de TSH normal, a realização de ultrassonografia da tiroide com atenção para as características e para o tamanho do nódulo é fundamental na indicação de punção aspirativa com agulha fina (PAAF).

COMO TIRAR MELHOR PROVEITO DA ULTRASSONOGRAFIA DE TIROIDE

A ultrassonografia (US) de tiroide é o método mais sensível para a detecção de nódulos na glândula, porém, em virtude da alta prevalência dessas lesões e da baixa agressividade do carcinoma tiroidiano, não deve ser usada como *screening* na população geral. O exame está particularmente indicado em pacientes com um ou mais nódulos palpáveis, no diagnóstico de neoplasia endócrina múltipla tipo 2 ou em casos de história familiar de câncer de tiroide, assim como em crianças submetidas à irradiação cervical, mesmo sem lesão palpável.

As características ultrassonográficas associadas a maior risco de malignidade incluem hipoecogenicidade, microcalcificações, margens irregulares ou mal definidas,

diâmetro anteroposterior maior do que o transverso e detecção de adenomegalia cervical.

Existem algumas formas de reunir as características ultrassonográficas dos nódulos, atribuindo-lhes números (Thyroid Imaging Reporting and Data System – TI-RADS) ou classificações, como a sugerida pela Sociedade Americana de Tiroide (American Thyroid Society - ATA) (*ver tabelas*).

O objetivo do TI-RADS é agrupar os nódulos em diferentes categorias com percentagem similar de malignidade à usada em BI-RADS. O sistema baseia-se na classificação dos nódulos de tiroide exclusivamente quanto às características de US modo B, para reduzir as variações interobservador e interdispositivo.

Vários artigos foram publicados desde 2009 com diferentes critérios de classificação e, em 2018, após o posicionamento do Colégio Americano de Radiologia [Tessler FN et al. ACR Thyroid Imaging, Reporting and Data System (Ti-RADS): white paper of the ACR Ti-RADS Committee. *J Am Coll Radiol.* 2017 May;14(5):587-595] e a validação da nova classificação entre os médicos ultrassonografistas do Grupo Fleury, laudos de US de tiroide passaram a ser liberados com a classificação proposta.

CLASSIFICAÇÃO POR IMAGEM DOS NÓDULOS DE TIROIDE SEGUNDO O TI-RADS*				
Critérios				
Composição	Ecotextura	Morfologia	Contornos	Focos ecogênicos
Sólido e predominantemente	Hiperecogênico: 1 ponto	Horizontal: O ponto	Liso / regular / indistinto: O ponto	Microcalcificações: 3 pontos
sólido: 2 pontos Misto (sólido/cístico):	Isoecogênico: 1 ponto	Vertical: 3 pontos	Irregular: 2 pontos	Macrocalcificações: 1 ponto
1 ponto Cístico e	Hipoecogênico: 2 pontos		Lobulado: 2 pontos	Calcificação anelar: 2 pontos
predominantemente cístico: O ponto	Acentuada hipoecogenicidade:		Extensão extraglandular: 3 pontos	Artefatos "cauda de cometa":
Espongiforme: 0 ponto	3 pontos			0 ponto
Pontuação				
0 ponto	2 pontos	3 pontos	4-6 pontos	7 ou mais pontos
Classificação final				
TI-RADS 1 Benigno	TI-RADS 2 Não suspeito	TI-RADS 3 PAAF >2,5 cm	TI-RADS 4 PAAF >1,5 cm	TI-RADS 5 PAAF >1 cm

CLASSIFICAÇÃO U	CLASSIFICAÇÃO ULTRASSONOGRÁFICA DE NÓDULOS DE TIROIDE SEGUNDO A ATA**				
Suspeita de malignidade ao US	Características da imagem	Risco estimado de malignidade	Recomendação de PAAF		
Alta	Nódulo sólido hipoecoico ou componente sólido hipoecoico de nódulo parcialmente cístico com uma ou mais das seguintes características: margens irregulares (infiltrativa, microlobulada), microcalcificações, diâmetro anteroposterior maior do que o transverso, calcificações de rebordo e evidência de extensão extratiroidiana	>70-90%	Nódulos >1 cm		
Intermediária	Nódulo sólido hipoecoico com margens lisas e sem microcalcificações, extensão extratiroidiana ou diâmetro anteroposterior maior do que o transverso	10-20%	Nódulos >1 cm		
Baixa	Nódulo sólido isoecoico ou hiperecoico ou, ainda, nódulo parcialmente cístico com áreas sólidas de permeio sem microcalcificações, margens irregulares, extensão extratiroidiana ou diâmetro anteroposterior maior do que o transverso	5-10%	Nódulos >1,5 cm		
Muito baixa	Nódulo espongiforme ou parcialmente cístico sem quaisquer das características ultrassonográficas descritas nos padrões anteriores	<3%	Considerar em nódulos >2 cm (a observação sem PAAF também é alternativa adequada)		
Nódulo benigno	Nódulo puramente cístico (sem componente sólido)	<1%	Não recomendada***		

* ACR - TIRADS (2017)

Em ambas as recomendações, consideram-se o tamanho e a pontuação do TI-RADS ou a classificação de risco para a indicação de punção do nódulo.

CLASSIFICAÇÃO DE BETHESDA

Para facilitar a nomenclatura dos resultados citológicos obtidos a partir da amostra colhida na PAAF, em 2009 um grupo de especialistas sugeriu uma padronização para reportar os achados citológicos, dividida em seis categorias, além de apresentar o risco de malignidade e as condutas clínicas para cada categoria.

Em 2017, o risco de malignidade foi ajustado, considerando-se uma nova variante histológica: a neoplasia folicular não invasiva com características nucleares de semelhança papilífera (NIFTP, do inglês, noninvasive folicular thyroid neoplasm with papillary-like nuclear features). Devido ao comportamento geralmente benigno dessa variante, o risco de malignidade diminuiu nas categorias III, IV e V. Finalmente, como o diagnóstico do NIFTP é possível somente após a remoção do nódulo (estudo histológico), não se modifica sua abordagem diagnóstica inicial.

Além do risco de malignidade, a partir de 2017 foi inserida a recomendação da utilização de marcadores moleculares nas categorias III e IV, como ferramenta adicional para a indicação de cirurgia, e para a categoria V, como opção para a programação da extensão do procedimento.



Categoria	Descrição	Risco de malignidade NIFTP = benigno (%)	Risco de malignidade NIFTP = maligno (%)	Conduta clínica
1	Insatisfatório	5-10	5-10	Repetir punção
II	Benigno	0-3	0-3	Seguimento clínico e US
III	Atipia ou lesão folicular de significado indeterminado	6-18	10-30	Repetir punção Marcadores moleculares Lobectomia
IV	Neoplasia folicular ou suspeito de neoplasia folicular	10-40	25-40	Marcadores moleculares Lobectomia
V	Suspeito de malignidade	45-60	50-75	Lobectomia Tiroidectomia
VI	Maligno	94-96	97-99	Lobectomia Tiroidectomia

^{**} ATA: American Thyroid Association (2016)
***A aspiração do cisto pode ser considerada devido aos sintomas ou por motivos estéticos.

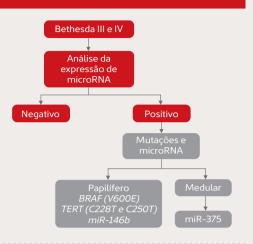
USO DO MARCADOR MOLECULAR MIR-THYPE

INDICAÇÃO

Nódulos classificados como categoria III e IV de Bethesda ao estudo citológico.

PRINCÍPIOS DO TESTE

Baseia-se na análise do perfil de expressão de microRNA, incluindo o miR-146b, para tumores de origem folicular (carcinoma papilífero), e o miR-375, para tumores de origem parafolicular (carcinoma medular). Inclui a pesquisa das variantes patogênicas do gene BRAF (V600E) e no promotor do gene TERT (C228T e C250T).



INTERPRETAÇÃO DO RESULTADO

Um nódulo classificado como Bethesda III ou IV, com resultado negativo no teste molecular, apresenta valor preditivo negativo (VPN) de 66,2%. Por outro lado, um resultado positivo para as mesmas categorias aumenta o risco de malignidade para 95% (valor preditivo positivo, o VPP). Com a inclusão da pesquisa de mutação de BRAF e de TERT, bem como da expressão do miR-146b, o exame se tornou mais acurado na identificação de nódulos malignos e de maior potencial de agressividade.

PERFORMANCE DO TESTE

• VPN:	95%
Sensibilidade:	89,3%
• VPP:	66,2%
Especificidade:	81%
Acurácia:	70%
• Prevalência de malignidade na	
população estudada:	28,7%

Notas:

- 1- Para o cálculo da performance do teste, foram avaliados 440 nódulos de tiroide das categorias III, IV de Bethesda. As amostras foram colhidas até 2020, previamente à inclusão da pesquisa de BRAF, TERT e miR-146b ao teste. (ref. Santos MT et al. EBioMedicine. 2022 Jul 1;82:104137. doi: 10.1016/j.ebiom.2022.104137.
- 2- O VPP é a probabilidade de um indivíduo avaliado e com resultado positivo ser realmente doente e o VPN é a probabilidade de um paciente avaliado e com resultado negativo ser realmente normal. No caso do nódulo de tiroide, o VPP corresponde à probabilidade de um nódulo analisado e com resultado positivo ser, de fato, câncer e o VPN, à probabilidade de um nódulo analisado e com resultado negativo ser, de fato, benigno.

COLETA DO MATERIAL

A análise molecular é realizada nas mesmas lâminas da PAAF utilizadas para o estudo citológico. Assim, não há necessidade de nova punção para coleta do material. É de fundamental importância especificar o nódulo que será avaliado pelo estudo molecular.

ESTABILIDADE DA AMOSTRA (CITOLOGIA) PARA REALIZAÇÃO DO MIR-THYPE

Cinco anos

VANTAGENS DO MÉTODO

- Dispensa nova punção.
- Apresenta elevados VPN e VPP.
- Foi desenvolvido e validado na população brasileira.

PONTOS DE ATENÇÃO

- Não validado para a população menor de 18 anos.
- Não validado para nódulos <1 cm.
- Não validado para investigação de variante Hurthle.

SIGNIFICADO DOS ACHADOS

BRAFV600E

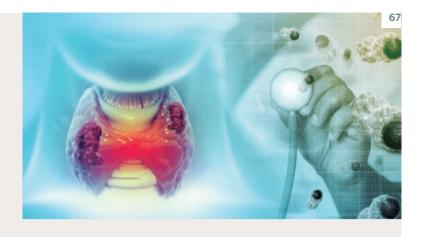
Quando presente de forma isolada, associa-se a uma alta probabilidade (>98%) de carcinoma papilífero da tiroide. O risco de recorrência é classificado pela ATA como intermediário para tumores >1 cm e baixo para tumores <1 cm. Embora alguns estudos sugiram que essa alteração seja preditora de agressividade e de pior prognóstico clínico, não há consenso na literatura sobre seu real poder prognóstico isoladamente.

pTERT C228T ou C250T isoladamente

Quando isolada, a mutação está relacionada a uma elevada probabilidade (>88%) de carcinoma papilífero ou folicular da tiroide e prediz um comportamento tumoral mais agressivo e de pior prognóstico, incluindo risco aumentado de recorrência/persistência, metástase linfonodal, extensão extratiroidiana, invasão de cápsula, tamanho tumoral, metástase a distância e mais estadiamentos TNM.

BRAF V600E em associação com pTERT C228T ou C250T

A coexistência dessas mutações sinaliza alta probabilidade (>99%) de carcinoma papilífero da tiroide. O risco de recorrência é classificado pela ATA como alto. Essa associação também é preditora de comportamento tumoral mais agressivo e pior prognóstico, especialmente com pTERT C228T,



incluindo risco aumentado de recorrência/persistência, metástase linfonodal, extensão extratiroidiana, invasão de cápsula, tamanho tumoral, metástase a distância, mais estadiamentos TNM e pior resposta à terapia.

miR-146b superexpresso

A superexpressão desse microRNA se correlaciona com alta probabilidade (>92%) de carcinoma papilífero da tiroide, impactando a sobrevida livre de doença e aumentando o risco de metástase linfonodal central.

Análise da expressão miR-375

A superexpressão do miR-375 é utilizada como biomarcador de carcinoma medular de tiroide.

- 1. Santos MT et al., 2018 Thyroid 28(12): 1618-1626.
- 2. Goldner WS, et al., 2019 Thyroid 29(11)
- 3. Zhao SS, et al., 2019 Int J Clin Exp Med 12(3) 2121-2131. 4. Haugen BR, et al., 2016 Thyroid 26: 1-133.
- 5. Scheffel RS & Maia AL 2019 Arq Bras Endocrinol Metab 63(2):95-96.
- 6. Gan X, et al., 2020 Oncol Lett 19(1):631-640.
- 7. Crispo F, et al., 2019 Cancers (Basel) 11(9):1388.
- 8. Trybek T. et al., 2019 Endocrinology160(10):2328-2338 9. Xing M, et al., 2014, J Clin Oncology 32(25):2718-2716.
- 10. Han PA, et al., 2016 Thyroid 26(4): 531-542.
- 11. Santos MT, et al., 2018 Arch Endocrinol Metab 62(Sup1) Abst 65854.
- 12. Tessler FN et al. ACR Thyroid Imaging, Reporting and Data System (Ti-RADS): white
- paper of the ACR Ti-RADS Committee. J Am Coll Radiol. 2017 May;14(5):587-595 13. Santos MT et al. EBioMedicine. 2022 Jul 1;82:104137. doi: 10.1016/j.ebiom.2022.104137

Consultoria médica:



Dr. José G. H. Vieira Consultor Médico em Endocrinologia jose.vieira@grupofleury.com.br



Dr. José Viana Lima Junior Consultor Médico em Endocrinologia iose.viana@grupofleurv.com.br



Dra. Maria Izabel Chiamolera Consultora Médica em Endocrir zabel.chiamolera@grupofleury.com.br



Consultor Médico em Endocrinologia pedro.saddi@grupofleury.com.br

Consultora Médica em Endocrinologia

Consultor Médico em Endocrinologia

Consultor Médico em Ultrassonografia

alberto.machado@grupofleury.com.bi

rui.maciel@grupofleurv.com.br

Dr. Alberto Lobo Machado

apaula.biscolla@grupofleury.com.br



Consultor Médico em Ultrasso ografia e Neuroimagem antonio.maia@grupofleury.com.br

Dr. Antônio Carlos Maia Ir.



Dr. Ivan Ucella Dantas de Medeiros Consultor Médico em Anatomia Patológica an.medeiros@grupofleury.com.br



Dra. Luciane Choppa do Valle Consultora Médica em Anatomia Patológica luciane.valle@grupofleurv.com.br



Dr. Mauro Tadeu Ajaj Saieg Consultor Médico em Anatomia Patológica auro.tsaieg@grupofleury.com.br



s metástases ósseas correspondem a 70% dos tumores malignos do adulto e os sítios primários mais comuns, responsáveis por 80% dos casos, são os tumores de próstata, mama, pulmão e carcinoma de células renais. A distribuição das metástases ósseas seque o padrão de distribuição da medula vermelha, provavelmente um reflexo do maior fluxo sanguíneo em comparação com a medula amarela. Portanto, os locais mais frequentes são as vértebras, bacia, fêmur e úmero proximal e calota craniana. A maioria dos casos de metástase óssea é assintomática. Quando provoca sintomas, os mais comuns são dor local, fratura patológica, deformidade e sintomas decorrentes da compressão das estruturas adjacentes, principalmente quando há massa de partes moles associada.

> O tumor de próstata é a neoplasia mais comum nos homens acima de 50 anos, sendo o adenocarcinoma o tipo mais frequente (95% dos casos). A principal via de disseminação é a hematogênica, embora possa ocorrer também disseminação linfática através de linfonodos

para-aórticos para o osso. Os locais mais comuns das metástases hematogênicas do tumor da próstata são o osso (90% casos), pulmão (45%), fígado (25%), pleura (20%) e adrenais (15%).

O paradigma atual para os pacientes com carcinoma de próstata recém-diagnosticado é a estratificação de risco. O PSA (antígeno prostático específico; valor normal de referência de 1 a 4 ng/dL), embora seja um biomarcador utilizado nos exames de screening e no monitoramento dos pacientes com carcinoma prostático, não é um bom indicador de progressão da doença, de sobrevida ou da necessidade de mudança no tratamento. Além disso, o PSA é de pouco valor para predizer metástases ósseas nos casos de tumores pouco diferenciados e quando o paciente está em uso de terapia hormonal, pois a expressão do PSA é diretamente influenciada pelo status androgênico e pacientes com níveis normais ou baixos de PSA podem ter evidência de progressão metastática. Por isso, os métodos de imagem foram incluídos nos quidelines de avaliação dos pacientes com tumor da próstata, com diversos esforços para a padronização da aquisição das imagens e confecção dos relatórios, como o Prostate Imaging Reporting and Data System (PI-RADS) (quadro 1).

Com o maior esclarecimento da população e realização rotineira de exames de screeaning, o número de casos de adenocarcinoma diagnosticados precocemente tem aumentado. E a crescente realização de exames de RM da próstata em pacientes com risco baixo ou intermediário acarretou a detecção de diversas alterações ósseas sem significado relevante. Por esse motivo, a pesquisa de metástases ósseas em pacientes assintomáticos com carcinoma prostático bem ou moderadamente diferenciado recém-diagnosticado e com valores de PSA < 20 ng/mL não é realizada de rotina, embora seja recomendada a pesquisa de lesões ósseas suspeitas na bacia e coluna lombar na avaliação da RM da próstata. Já para os tumores nãodiferenciados a pesquisa de metástases ósseas com estudo específico é indicada, independentemente do valor do PSA.

Briganti *et al.* em 2010 descreveram uma estratificação de risco para selecionar os pacientes que deveriam realizar exames de imagem na avaliação inicial do carcinoma de próstata *(quadro 2):*

A cintilografia óssea com tecnécio (99mTc) passou então a ser o método de escolha para a pesquisa

Quadro 1: Estratificação de risco de carcinoma prostático em 5 categorias de acordo com o PIRADS.

de metástases ósseas em pacientes com PSA≥20 ng/ml e escore de Gleason≥8 conforme diversos guidelines. O exame não visualiza diretamente a metástase, mas sim a reação osteoblástica pela presença de células tumorais e sua detecção tem correlação com os valores de PSA (quadro 3).

Quadro 3: Percentual de detecção de metástases ósseas pela cintilografia com tecnécio de acordo com os valores de PSA.

DETECÇÃO DE METÁSTASES ÓSSEAS PELA CINTILOGRAFIA ÓSSEA

PSA	Detecção
<20 ng/mL	<1%
< 10 ng/mL	2,3%
> 10 e < 20 ng/mL	5,3%
>20 e < 50 ng/mL	16,2%

A tomografia computadorizada (TC) apresenta sensibilidade de 56% e especificidade de 74% na detecção das metástases ósseas, sendo que a associação da cintilografia com a TC de baixa dose (SPECT-CT - single-photon emission computed tomography (SPECT) associado à TC) aumentou a sensibilidade na detecção das metástases ósseas em pacientes com carcinoma de próstata para 87–92%.

PI-RADS5 VERSÃO 2.1 (2019)

Categoria	Risco	
PI-RADS 1	Muito baixo	Câncer clinicamente significativo é muito improvável
PI-RADS 2	Baixo	Câncer clinicamente significativo é improvável
PI-RADS 3	Intermediário	A presença de câncer clinicamente significativo é indeterminada
PI-RADS 4	Alto	Câncer clinicamente significativo é provável
PI-RADS 5	Muito alto	Câncer clinicamente significativo é altamente provável

Quadro 2: Estratificação de risco para metástase óssea segundo Briganti *et al.* (2010) usando como critérios o escore de Gleason, a classificação TNM e o PSA para estimar o risco de metástases.

ESTRATIFICAÇÃO DE RISCO PARA METÁSTASE ÓSSEA SEGUNDO BRIGANTI *ET AL.* (2010)

Risco	Gleason	TNM	PSA	% metástase
Baixo	≤7	cT1-3	<10 ng/mL	1,8%
Intermediário	≤7	cT2-3	>10 ng/mL	8,5%
Alto	>7	-	-	16,4%

O PET/CT usando 18F-Fluordeoxiglicose (FDG) aumentou drasticamente a detecção de metástases ósseas, inclusive das lesões ainda não identificáveis nos estudos radiológicos anatômicos.

A RM também se mostrou superior à cintilografia, conforme visto no quadro 4 onde estão resumidas a sensibilidade e especificidade dos diversos métodos na detecção das metástases ósseas.

Nos últimos anos, a RM de corpo inteiro também demonstrou ter alta acurácia na pesquisa de metástases ósseas, embora o PCWG (*Prostate Cancer Clinical Trials Working Group*) ainda recomende a realização de cintilografia e TC.

O MET-RADS-P (METastasis Reporting and Data System for Prostate Cancer) foi criado para promover uma padronização, reduzindo as variações na aquisição, interpretação e forma de informar as alterações nos exames de RM do corpo inteiro em pacientes com doença avançada, levando em conta que, embora tenha resolução espacial inferior, a RM de corpo inteiro apresenta alto contraste entre as lesões suspeitas e o osso quando comparada com a TC. Além disso, a RM de corpo inteiro consegue claramente categorizar a resposta ao tratamento (incluindo a detecção de resistência primária e secundária e heterogeneidade de resposta), ajudando na estratégia terapêutica, enquanto a cintilografia e o PET-CT apenas identificam a progressão da doença.

A doença metastática pode levar a perda óssea ou formação óssea em graus variáveis. A perda óssea ocorre devido à ativação osteoclástica e destruição enzimática, manifestando-se como lesões líticas. A formação óssea pode ocorrer no interior do substrato tumoral (como no caso das metástases do carcinoma da próstata) ou como formação reativa de osso novo em resposta

Quadro 4: Sensibilidade e especificidade dos diversos métodos na detecção de metástases ósseas. Modificado de Turpin A e cols. Imaging for Metastasis in Prostate Cancer: A Review of the Literature. Front Oncol. 2020 Jan 31;10:55.

SENSIBILIDADE E ESPECIFICIDADE NA DETECÇÃO DE METÁSTASES ÓSSEAS

Método	Sensibilidade (%)	Especificidade (%)
Cintilografia óssea	79	82
TC	56	74
SPECT-CT	87-92	91
SPECT-CT FDG	100	100
SPECT-CT Colina	87	97
RM	95	6

ao tumor adjacente, semelhante ao que ocorre na formação do calo ósseo, ambas se manifestando como lesões blásticas. Entretanto, nem sempre as metástases se manifestam apenas nas formas lítica ou blástica. Na verdade, há um espectro de formas de apresentação que varia desde o exame tomográfico normal até aspectos mistos ou em vidro fosco.

O carcinoma prostático costuma se apresentar como lesões mistas na TC e cintilografia e com e cintilografia e escleróticas/hipocelulares, com calcificação central ou com halo de hipersinal em T2 com supressão de gordura na RM. No quadro 5 estão resumidas as diversas formas de apresentação mais comuns de metástases ósseas segundo Padhani.

Na RM, a substituição dos elementos normais da medula óssea pela lesão tumoral se manifesta como área de sinal hipointenso na ponderação T1. Na ponderação T2 as lesões metastáticas se apresentam com sinal mais hiperintenso que a medula óssea normal pelo seu alto conteúdo de água. As lesões metastáticas costumam ter realce pelo meio de contraste, embora a administração de gadolínio não consiga diferenciar completamente as lesões ósseas benignas das malignas, sendo mais útil na avaliação dos componentes de partes moles.

A mensuração das lesões deve ser realizada na ponderação T1 com alta resolução. O limite preconizado é medir até 5 lesões \geq 1,0 cm na TC e \geq 1,5 cm no maior diâmetro na RM do corpo inteiro, sendo pelo menos uma no esqueleto axial, se houver. Isso porque a resolução espacial da RM do corpo inteiro é inferior à da TC. Mas, caso sejam utilizadas sequências com alta resolução espacial na RM, o limite pode ser \geq 1,0 cm. Todas as lesões devem ser reportadas, mesmo as imensuráveis.

Para a avaliação das lesões ósseas é necessária a realização da difusão com pelo menos dois valores de b para que seja possível o cálculo do ADC, sendo preconizado na maioria dos protocolos a difusão com b0, b entre 50 e 100 e b entre 800 e 1000 (b alto). Para evitarmos resultados falso-positivos, as imagens de difusão devem ser correlacionadas com as imagens nas ponderações T1 FSE (fast spin echo), T1 GRE (gradient-recalled echo) em fase e fora de fase e os valores de ADC. Na medula óssea normal

é esperada uma queda do sinal > 20% na sequência fora de fase devido ao fato da medula óssea no adulto apresentar cerca de 40 a 50% de gordura. Nos casos em que a queda é < 20% isso reflete que há substituição da gordura normal da medula óssea por outro tipo de celularidade, situação que ocorre nas lesões suspeitas. Os valores normais da medula óssea, das lesões tumorais em atividade e das lesões após resposta ao tratamento estão resumidas no quadro 6.

Quadro 6: Valores normais de ADC na medula óssea normal, no caso dos tumores viáveis e na doenca tratada.

VALORES DE ADC (UM2 /S) SEGUNDO MET-RADS

	Medula óssea
Normal	< 600 - 700
Tumor viável	700 - 1400
Doença tratada	> 400

Quadro 5: Diversas formas de apresentação das metástases ósseas mais comuns de acordo com o aspecto na TC, positividade na cintilografia e celularidade na RM. CTM – células tronco mesenquimais (mesenchymal stem cell).

DIFERENTES ASPECTOS DAS METÁSTASES ÓSSEAS MAIS COMUNS

TC	Cintilografia	RM	Tumor	Observações
Normal	(-)	↑Celularidade	Hemático (leucemia)	O Interação detectável entre osteoclastos/osteoblastos
Osteolítica	(-)	↑Celularidade ↓Gordura	Mieloma	Predomínio da ação osteoclástica (↓↓OPG e ↑↑RANK) com diferenciação das CTM em adipócitos
Osteolítica		↑Celularidade ↓Gordura	Mama	Predomínio da ação osteoclástica (↓↓OPG e ↑↑RANK) com diferenciação das CTM em fitoblastos
Osteolítica	(-)	↑Celularidade +-Expansão para partes moles	Mieloma Mama Pulmão	Predomínio da ação osteoclástica (↓↓OPG e ↑↑RANK)
Mista	(+)	↑Celularidade	Mama Próstata	 Predomínio da ação osteoclástica Proliferação fitoblastos, osteoblastos, matriz cálcica, depósito de material osteoide e colágeno
Blástica	(+)	Calcificação / tecido ósseo central Halo ↑sinal T2 SG/STIR	Próstata Mama (alguns)	Expansão periférica do tumor formando halo espesso/irregular ("war zone")
Blástica	(-)	O Celularidade Osso esclerótico	Próstata Mama (alguns)	Apenas ação osteoblástica, com depósito de matriz densa mineralizada / materialosteoide

Conclusão

A medida dos valores de ADC só deve ser aferida nas metástases com água detectável na difusão, devendo ser examinadas em todos os valores de b (caso a metástase não seja hiperintensa na difusão com b800-1000, o ADC ainda assim pode ser aferido caso a lesão seja hiperintensa nos demais valores de b - baixo ou intermediário). Nas metástases que não são hiperintensas em nenhum valor de b, como as lesões escleróticas densas, os valores de ADC serão errôneos, refletindo apenas o ruído da imagem.

Deve ser ressaltado que nem toda metástase apresenta hipersinal na difusão com b800-1000.

Isso pode ocorrer nos casos de infiltração tumoral com celularidade mais esparsa, com matriz densa de mineralização (de-novo ou relacionada ao uso de bifosfonado/denosumab), quando há necrose significativa (de-novo ou após terapia) ou no caso das lesões tratadas. As metástases também podem ser obscurecidas quando há infiltração ou hiperplasia difusa da medula óssea, como no caso do uso de fatores estimulantes do crescimento.

A resposta ao tratamento nas metástases ósseas foram categorizadas em 5 grupos pelo MET-RADS-P, sumarizados no quadro 7:

Quadro 7: Resposta ao tratamento nas metástases ósseas categorizadas pelo MET-RADS-P. Modificado de Padhani AR, et al. METastasis Reporting and Data System for Prostate Cancer: Practical Guidelines for Acquisition, Interpretation, and Reporting of Whole-body Magnetic Resonance Imaging-based Evaluations of Multiorgan Involvement in Advanced Prostate Cancer. EUROPEAN UROLOGY 71 (2017) 81-92.

CATEGORIAS DE RESPOSTA AO TRATAMENTO DAS LESÕES ÓSSEAS SEGUNDO MET-RADS

Categoria	Classificação	Descrição
1	Resposta altamente provável	 Retorno do sinal da medula óssea normal nas áreas de infiltração tumoral focal ou difusa; Redução do número e tamanho das lesões focais; Evolução do padrão de doença difusa focal; Redução do componente de partes moles associados à lesão óssea; Lesões densas escleróticas com margens bem definidas e desaparecimento do halo hipertenso em T2; Surgimento de gordura no interior ou ao redor da lesão; Lesões com ADC prévio ≤ 1400 µm2/s passarem a > ≤ 1400 µm²/s;
		 Aumento do ADC ≥ 40% da linha de base em associação com redução do sinal da difusão com valor de b alto e achados morfológicos que indicam estabilidade ou resposta.
2	Resposta provável	 Lesões com ADC prévio ≤ 1000 μm2/s passarem a 1400 μm²/s; Aumento do ADC > 25% mas < 40% da linha de base em associação com redução o sinal da difusão com valor b alto e achados morfológicos que indicam estabilidade ou resposta
3	Sem modificação	• Lesão sem modificações evolutivas apreciáveis
4	Progressão provável	 Questionável surgimento de lesões novas; Sem mudança no tamanho, mas aumento sinal na difusão com valor de b alto com ADC < 1400 µm²/s; Ressurgimento de lesões que já haviam desaparecido ou aumento de lesões que estavam estáveis ou tinham reduzido de tamanho; Tecido de cortes moles determinando redução do canal vertebral, mas sem achados neurológicos ou compressão que necessite de RT/Intervenção cirúrgica.
5	Progressão Altamente provável	 Fratura nova com sinais de malignidade na RM e compressão medular necessitando de RT/intervenção cirúrgica; Lesões novas ou surgimento de infiltração metástica difusa; Lesões novas/regiões com hipersinal na difusão com valor b alto e ADC entre 600-1000 µm²/s Aumento no tamanho ou número de lesões focais; Surgimento de componente de partes moles em relação às lesões ósseas.



Agora a Revista Médica do Grupo Fleury também é DIGITAL

Muito mais informação na palma da sua mão



Uma publicação periódica destinada ao público médico, com atualizações científicas e multidisciplinares, e escrita por especialistas do Grupo Fleury:



Conteúdo de diversas especialidades



Discussão de temas da atualidade



Atualizações de serviços



ACESSE A ÁREA MÉDICA

do nosso site e navegue por todas as edições



Canais de atendimento



.weinmann.com.br | serdil.com.br





revista médica_#12

@@laboratorioweinmann f/laboratorioweinmann | SerdilRadiologia



SAÚDE da Mulher

EXAMES DISPONÍVEIS:

- Acompanhamento gestacional completo
 - Ecografias
- Densitometria óssea
 - Hormonais
 - Medicina Fetal
- Oncotype DX®
- Painéis genéticos de mama
 - Papanicolau
- Ressonância magnética 1.5T e 3T
 - Sorologias
- Teste pré-natal não invasivo para aneuploidias fetais (NIPT e NIPT ampliado)

Medicina Fetal

Oferecemos todo o cuidado e carinho que a mamãe e o bebê merecem durante a gestação, com uma equipe médica especializada, laudos padronizados e portfólio completo de exames para o pré-natal

Equipe médica especializada

que acompanha e realiza os

exames de mamografia e ecografia

Exames realizados em

ambientes modernos e

acolhedores

Coleta domiciliar

paciente preferir

onde e quando sua

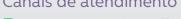
Centro da Mulher Serdil

Um espaço voltado exclusivamente ao público feminino e com ampla gama de exames. Dentre eles estão a Biópsia de agulha fina e o Core Biopsy.

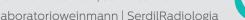
Canais de atendimento

- **(51)** 4004-3080 **(**
- @@laboratorioweinmann | f/laboratorioweinmann | SerdilRadiologia





.weinmann.com.br | serdil.com.br







@@laboratorioweinmann | SerdilRadiologia Weinmann Serdil





COMPLETA PARA **SEUS PACIENTES**







Portfólio amplo para o público adulto e infantil



e acolhedor



Toda confiança e qualidade do Grupo Fleury

CONFIRA NOSSO PORTFÓLIO COMPLETO.

- Hepatite A Adulto e Infantil
- Hepatite B Adulto e Infantil
- Hepatites A e B Combinadas
- Merpes-Zóster Recombinante Hexavalente Acelular Combinada
- Imunoglobulina humana anti-D/anti-RH
 - Influenza Quadrivalente
- Meningocócica A, C, Y, W Conjugada
- Meningocócica B Recombinante
- Papilomavírus Humano (HPV) Quadrivalente
 - Pentavalente Acelular Combinada
 - Rotavírus Pentavalente
 - Pneumocócica Conjugada 13 Valente
- Quadrivalente combinada (DTPa+pólio)
- Tríplice Bacteriana Acelular do Adulto
- Tríplice Viral (Sarampo, Caxumba, Rubéola)
 - Varicela

Conte com o Weinmann na campanha de imunização contra a gripe. Nossas vacinas são tetravalentes e oferecem proteção contra dois subtipos de influenza do tipo A e duas linhagens de influenza do tipo B.



Unidade Menino Deus Rua losé de Alencar. 573 Menino Deus - RS

IMPORTANTE: A vacina contra a gripe, assim como todas as demais vacinas disponíveis, pode ser administrada concomitantemente ou com qualquer intervalo em relação às vacinas contra a COVID19. A vacinação deve ser adiada brevemente em indivíduos que sofrem de enfermidade febril aguda grave.



VACINE-SE EM CASA OU ONDE PREFERIR COM A COLETA DOMICILIAR, SEM TAXA DE VISITA*

Até mesmo aos sábados, domingos e feriados Mediante apresentação do voucher de desconto.











Nova Unidade FARRAPOS

Av. Farrapos, 2750 das 7h às 16h e

0



Novo espaço em **Porto Alegre oferece** resultados mais rápidos e área exclusiva para as crianças

Um lugar destinado ao cuidado com a saúde e ao bem-estar de seus pacientes. Ampla e moderna, a nova unidade oferece análises clínicas e exames de imagem em um só lugar, além de muito conforto e a qualidade que você já conhece.





RESULTADOS RÁPIDOS

Fluxo de liberação de resultados de urgência, com prazos de entrega para exames de rotina de 2h a 4h. Exames solicitados pré-quimioterapia são liberados em até 2h.



VITRINE PARA ÁREA TÉCNICA

Agora você poderá ter a experiência de ver como funciona o nosso laboratório de análises clínicas onde são feitos os exames.



ESTACIONAMENTO DISPONÍVEL PARA TODOS **OS CLIENTES.**



SALA EXCLUSIVA PARA AMAMENTAÇÃO

O espaço, que conta com fraldário e micro-ondas, foi feito para os bebês que precisam aguardar para realizar a coleta de urina.



WEINMANN KIDS

Equipe especializada com mais de 10 anos de experiência em coleta pediátrica e neonatologia. Espaço criado para distrair e acolher as crianças, tornando a experiência de fazer exames mais leve, lúdica e divertida.



ASSESSORIA MÉDICA

Equipe especializada em pediatria sempre pronta para discutir casos mais complexos e prestar esclarecimentos sobre exames.









Saiba tudo que o Weinmann e a Serdil podem **FAZER POR VOCÊ E SEUS PACIENTES**

Consulte os horários de funcionamento em nosso site

O **Weinmann** construiu toda a sua traietória de mais de 90 anos a partir dos pilares de pioneirismo, confiabilidade, excelência técnica em diagnósticos e inovacão em procedimentos, sempre investindo nos mais modernos equipamentos para oferecer aos seus clientes o que há de melhor em Medicina Diagnóstica.

Recentemente, o Weinmann se uniu à Serdil, clínica especializada em diagnósticos por imagem, com 50 anos de tradição, passando agora a oferecer ainda mais tecnologia em serviços de Medicina Diagnóstica. Com essa iniciativa, em um mesmo local é possível realizar exames laboratoriais e de imagem em ambientes acolhedores e estrutura moderna. garantindo máxima confiança, excelência e agilidade.



Exames laboratoriais:

- Anatomopatológicos e citológicos
- Bacteriológicos
- Biomoleculares
- · Coleta de medula óssea
- Hematológicos
- Hormonais
- · Imunológicos
- Parasitológicos
- · Provas funcionais com acompanhamento médico
- Sorologias
- Testes bioquímicos
- Toxicológicos
- · Urinálise



Exames de imagem e métodos gráficos disponíveis na Serdil:

- Biópsias
- · Densitometria óssea
- · Ecocardiograma
- · Eletrocardiograma
- · Mamografia digital · Mapa/Holter
- · Medicina Fetal
- · Procedimentos em mama
- · Raios X
- · Ressonância Magnética de 1,5 e 3,0 Tesla
- Tomografia computadorizada
- · Ecografia geral e com Doppler
- · Ecografia geral pediátrica



Exames genéticos:

- CGH-array
- Exoma
- Oncotype DX®

 Teste pré-natal não invasivo para aneuploidias fetais (NIPT)





COLETA DOMICILIAR: Weinmann até você

O **Weinmann** oferece a comodidade de realizar exames laboratoriais em casa, no trabalho ou onde seu paciente preferir, com a mesma rede de convênios das unidades físicas.

- Portfólio completo para exames de análises clínicas.
- Equipe qualificada para realizar a coleta nos mais variados públicos.
- Agendamento de membros da mesma família em um único dia.
- Prazo de entrega dos resultados menor do que o dos exames coletados nas unidades.



*Mediante apresentação do voucher promocional



CONVÊNIOS

- Academia Nacional de Medicina
- Advance Medical
- Amil
- AFISVEC
- AFPERGS
- Agafarma*
- Ajuris
- Allianz Saúde
- Amil
- Assefaz Assist Card
- Assoc. Saúde Rural Alegrete
- Avus Descontos e Promoções*
- Bacen Saúde
- Banco da Amazônia
- Bradesco
- Cabergs
- Capesesp
- Care Plus
- Cassi
- Centro Clínico Gaúcho
- CIEE*
- Cigna Global
- Clube do Assinante ZH*
- Clube Premier Bourbon*
- Clude Descontos*
- Consulte*

Anita Mall

Rua Anita Garibaldi, 600 Loja 102 | Mont'Serrat

Bourbon Ipiranga

Sala 300 | Jardim Botânico

Floresta

Farrapos

General Vitorino

511 | Centro Histórico

Lindóia Shopping

2º andar | Jd. Lindóia

Rua João Manoel, 119 Centro Histórico

Menino Deus

Menino Deus

Intermédica • IPE Saúde

Irmãos Lassalistas/Soc. Porvir

FAS/AMP-RS/Salutaris

Gboex Previdência*

 Issea Labet Toxicológico

Coopersinos

• CP Mais*

• CPCLIN*

Danamed

• Elo Saúde

Embratel

• Geap

Fátima Saúde

• Gama Saúde

Gente Saúde

• Integra Medical

GKN Saúde

• Doctor Clin

- Life Empresarial
- Lincx
- Medial
- Mediservice
- Medpass* Medsenior
- Multiclínica POA
- Naxia Digital*
- Notre Dame Intermédica

- OAB Caixa Advogados*
- Omint
- One Health
- Panvel*
- Porto Seguro
- Postal Saúde
- Proasa
- Prudential RBS CAF
- Sameisa
- Saúde Caixa
- Saúde PAS Saúde Petrobras
- Sinam*
- Sindlojas*
- Sompo Saúde
- SulAmérica
- Sulmed Tacchimed
- Ugapoci
- Unafisco
- Unimed Encosta da Serra
- Unimed Porto Alegre
- Usisaúde Usiminas Zamprogna
- Vale Saúde Sempre
- Verte Saúde
- Vital Help*

Porto Alegre

*Convênio de desconto à vista: Entre em contato com nossa Central de Atendimento para confirmar a cobertura e o desconto de seu convênio

Av. Ipiranga, 5.200

Ecofetal

Ū

nidad

Av. Cristovão Colombo, 2130

Avenida Farrapos, 2750 Floresta

Rua Vigário losé Inácio.

Av. Assis Brasil, 3.522

Rua losé de Alencar. 573

Moinhos de Vento Rua Ramiro Barcelos, 910

3º andar Moinhos de Vento

Rua Mostardeiro, 295

Independência

Nilo Pecanha

Mostardeiro

Av. Nilo Peçanha, 2.655 Chácara das Pedras

Shopping Iguatemi Av. João Wallig, 1.800

Passo d'Areia

Wenceslau Escobar

Av. Wenceslau Escobar. 3.033 Cj. 102 Vila Conceição

Zona Sul

Cachoeirinha

Av. Otto Niemeyer, 687 Tristeza

Região Metropolitana

Av. Flores da Cunha. 1.340 Vila Imbui

Canoas

Esteio Rua Padre Claret, 196 | Centro

Rua Goncalves Dias. 67.

Gravataí

Av. Dorival Cândido Luz de Oliveira, 166 Loja 11 | Centro

Sala 10 | Centro

Serra

Gramado

Rua Madre Verônica. 230 | Vila Suíça

Vale dos Sinos Novo Hamburgo

Av. Nações Unidas, 2.226 | Centro

Rua Conceição, 1.009 | Centro

Serdil

Rua São Luis, 96

(esquina com Av. Ipiranga)



